

PRODUCCIÓN Y CARACTERIZACIÓN DE ÁCIDO HIALURÓNICO POR CULTIVO SUMERGIDO DE *Streptococcus equi* subsp. zooepidemicus

TESIS

PARA OBTENER EL GRADO DE MAESTRA EN BIOTECNOLOGÍA

PRESENTA:

IBQ Ivana Cristina Peñuelas Silva

Directora de Tesis:

Dra. Concepción Keiko Shirai Matsumoto¹

Asesoras:

Dra. Zaizy Rocha Pino¹

¹ Universidad Autónoma Metropolitana, Unidad Iztapalapa. Departamento de Biotecnología, Laboratorio de Biopolímeros y Planta Piloto de Bioprocesos de subproductos Agro-industriales y Alimenticios

Dra. Isabel de la Luz Membrillo Venegas

Tecnológico de Estudios Superiores de Ecatepec. División de Ingeniería Química y Bioquímica

Ciudad de México, a 03 de febrero de 2016

"La Maestría en Biotecnología de la Universidad Autónoma Metropolitana está incluida en el Programa Nacional de Posgrados de Calidad (PNCP) del CONACYT, con la referencia 001465".

Esta tesis se realizó en el Laboratorio de Biopolímeros y Planta Piloto 10 del Departamento de Biotecnología de la División de Ciencias Biológicas y de la Salud, Universidad Autónoma Metropolitana Unidad Iztapalapa, bajo la dirección de la Dra. Concepción Keiko Shirai Matsumoto. El trabajo experimental se llevó a cabo con financiamiento del Consejo Nacional de Ciencia y Tecnología (SEP-CONACYT No. 237292).

El H. Jurado designado por la División de Ciencias Biológicas y de la Salud de la Universidad Autónoma Metropolitana Unidad Iztapalapa aprobó la tesis:

"Producción y caracterización de ácido hialurónico por cultivo sumergido de Streptococcus equi subsp. zooepidemicus"

Que presentó:

IBQ Ivana Cristina Peñuelas Silva

Comité tutoral:

Directora de tesis:

Dra. Concepción Keiko Shirai Matsumoto¹

Asesores de tesis:

Dra. Zaizy Rocha Pino1

¹Universidad Autónoma Metropolitana, Departamento de Biotecnología, Laboratorio de Biopolímeros y Planta Piloto de Bioprocesos de subproductos Agroindustriales y Alimenticios

Dra. Isabel de la Luz Membrillo Venegas

Tecnológico de Estudios Superiores de Ecatepec. División de Ingeniería Química y Bioquímica

H. Jurado:

Presidente:

Dr. Humberto Vázquez Torres

Secretario:

Dra. Isabel de la Luz Membrillo Venegas

Vocal:

Dra. Zaizy Rocha Pino

Vocal:

M. en B. Marco Polo Carballo Sanchez



DEDICATORIAS

A mis padres, Alberto Peñuelas y Carmen Silva

AGRADECIMIENTOS

A la Dra. Keiko Shirai, por permitirme formar parte de su equipo de trabajo, por su valiosa dirección, apoyo y confianza para la realización de este proyecto.

A la Dra. Zaizy Rocha quien con gran amabilidad, disposición y paciencia me orientó y motivó durante la realización del trabajo experimental. Agradezco la revisión y sus observaciones al presente escrito, así como su sincera amistad.

Al Dr. Humberto Vázquez, por la revisión y sus observaciones al presente trabajo, así como por sus consejos y enseñanzas.

Al M. en B. Marco Polo Carballo, por la revisión de la tesis, sus observaciones y su amistad.

A la Dra. Isabel Membrillo, por sus observaciones y sugerencias al presente trabajo.

A la M. en B. Angélica Ramos, por las pruebas de SEC y ¹H-RMN de las muestras, que realizó durante su estancia en la Universidad Claude Bernard Lyon 1.

A mis compañeros de laboratorio, por el apoyo brindado; en especial a Carmen, Rosario y Lety por su amistad.

A Joel, por todo su apoyo y cariño.

ÍNDICE GENERAL

RESUMEN	1
ABSTRACT	2
1. INTRODUCCIÓN	4
2. MARCO TEÓRICO	6
2.1 Ácido hialurónico	6
2. 2 Funciones biológicas del ácido hialurónico	7
2.3 Aplicaciones del ácido hialurónico	8
2.4 Producción de ácido hialurónico por Streptococcus	10
2.4.1 Condiciones de fermentación empleadas en la producción de ácido hialurónico	12
2.4.2 Medios de cultivo empleados en la producción de ácido hialurónico.	14
3. JUSTIFICACIÓN	17
4. HIPÓTESIS	18
5. OBJETIVOS	18
5. 1 Objetivo general	18
5. 2 Objetivos particulares	18
6. METODOLOGÍA	19
6.1 Microorganismo	19
6.1.1 Conservación del microorganismo	19
6.2 Preparación del inóculo	19
6.2.2 Estandarización del inóculo	20
6.3 Establecimiento del método turbidimétrico de cuantificación del ácido hialurónico	20
6.4 CUI TIVO SUMERGIDO	21

6.4.1 Determinacion del efecto de la concentracion de glucosa inicial en c sumergido estático	
6.4.2 Determinación del efecto de la agitación en cultivo sumergido airead	io 22
6.5 ANÁLISIS DE LAS MUESTRAS	22
6.5.1 Determinación del crecimiento bacteriano	22
6.5.2 Determinación del consumo de glucosa	23
6.5.3 Determinación del pH	23
6.5.4 Determinación de proteína soluble	24
6.5.5 Extracción del ácido hialurónico	24
6.5.6 Cuantificación del ácido hialurónico	24
6.6. CARACTERIZACIÓN DEL ÁCIDO HIALURÓNICO	25
6.6.1 Análisis por espectroscopía de infrarrojo FTIR	25
6.6.2 Análisis por resonancia magnética nuclear de protón ¹ H-NMR	25
6.6.3 Determinación del peso molecular del ácido hialurónico	26
6.7 ANÁLISIS ESTADÍSTICO	26
VII RESULTADOS Y DISCUSIÓN	28
7.1 Microorganismo	28
7.2 Estandarización del inóculo	28
7.3 Establecimiento del método de cuantificación de HA	29
7.4 CULTIVO SUMERGIDO	29
7.4.1 Efecto de la concentración de glucosa inicial en cultivo sumergido	
estático	
7.4.1.1 Consumo de glucosa	
7.4.1.2 Perfil de pH	
7.4.1.3 Proteína soluble	
7.4.1.4 Crecimiento bacteriano	33

7.4.1.5 Producción de ácido hialurónico	35
7.4.2 Efecto de la agitación en cultivo sumergido aireado	36
7.4.2.1 Consumo de glucosa	38
7.4.2.2 Perfil de pH	39
7.4.2.3 Proteína soluble	40
7.4.2.4 Crecimiento microbiano	41
7.4.2.5 Producción de HA	43
7.5 CARACTERIZACIÓN DEL ÁCIDO HIALURÓNICO	45
7.5.1 Caracterización de HA por espectroscopía de infrarrojo FTIR	45
7.5.2 Caracterización del HA por resonancia magnética nuclear de protón	
NMR	46
7.5.3 Determinación del peso molecular del ácido hialurónico	48
VIII CONCLUSIONES	52
IX SUGERENCIAS PARA TRABAJOS FUTUROS	53
X REFERENCIAS	54
XI ANEXOS	59
11.1 Composición del caldo de infusión de cerebro y corazón	59
11.2. Composición del caldo de soya y tripticaseína	59
11.3 Cuantificación de ácido hialurónico por el método turbidimétrico CTAB (Método Turbidimétrico CTAB). Protocolo propuesto por Chen y Wang (2009)	
11.4 Cuantificación de ácido hialurónico por el método turbidimétrico CTM (Método Turbidimétrico CTAB). Protocolo propuesto por Di Ferrante (1956)	61
11.5 Determinación de azúcares reductores por el método colorimétrico DN (Miller, 1959)	
11. 6 Determinación de proteína soluble por el método colorimétrico Lowry-Peterson (Peterson, 1977)	63

11.7 Espectros de FTIR de las muestras de HA obtenidas en el cultivo de <i>S. equi</i> subsp. zooepidemicus
11.7.1 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i> con CGI de 2.5 g/L 65
11.7.2 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i> con CGI de 5 g/L
11.7.3 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i> con CGI de 10 g/L
11.7.4 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i> con agitación de 200 rpm
11.7.5 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo
sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i> con agitación de 400 rpm
11.7.6 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i> con agitación de 600 rpm
11.8 Cromatogramas de SEC de las muestras de HA producidas en el cultivo
sumergido agitado 400 rpm de <i>S. equi</i> subsp. zooepidemicus71
11.8.1 Cromatograma de SEC del HA comercial71
11.8.2 Cromatograma de SEC del HA producido a las 8 h de cultivo (HA8) 73
11.8.3 Cromatograma de SEC del HA producido a las 8 h de cultivo (HA9) 74
11.8.4 Cromatograma de SEC del HA producido a las 10 h de cultivo (HA10) 75
11.8.5 Cromatograma de SEC del HA producido a las 10 h de cultivo (HA11) 76
11.8.6 Cromatograma de SEC del HA producido a las 12 h de cultivo (HA12) 77
11.8.7 Cromatograma de SEC del HA producido a las 12 h de cultivo (HA13) 78
11.8.8 Cromatograma de SEC del HA producido a las 24 h de cultivo (HA14) 79
11.8.9 Cromatograma de SEC del HA producido a las 24 h de cultivo (HA15) 80
11.8.10 Cromatograma de SEC del HA producido a las 48 h de cultivo (HA16). 81

11.8.11 Cromatograma de SEC del HA producido a las 48 h de cultivo (H	A17) 82
11.8.12 Cromatograma de SEC del HA producido a las 48 h de cultivo (HA	A48) 83
11.9 Análisis estadístico	84
11.9.1 Efecto del tiempo en la concentración de glucosa en el cultivo	
sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i>	84
11.9.2 Efecto de la CGI en el consumo de glucosa en el cultivo sumergid	
estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i>	86
11.9.3 Efecto del tiempo en la concentración de proteína soluble en el cu	Iltivo
sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. zooepidemicus	87
11.9.4 Efecto de la CGI en el rendimiento de producto a partir de sustrat	o (Y _{HA/S})
y la productividad volumétrica (P _{HA}), en el cultivo sumergido estático de	S. equi
subsp. zooepidemicus	88
11.9.5 Efecto del tiempo en la concentración de glucosa en el cultivo	
sumergido agitado de <i>S. equi</i> subsp. zooepidemicus	88
11.9.6 Efecto de la agitación en el consumo de glucosa en el cultivo sun	nergido
de S. equi subsp. zooepidemicus	91
11.9.7 Efecto del tiempo en la concentración de proteína soluble en el cu	ıltivo
sumergido agitado de S. equi subsp. zooepidemicus.	91
11.9.8 Efecto de la agitación en el rendimiento de producto a partir del s	ustrado
(Y _{HA/S}) y productividad volumétrica de HA (P _{HA}), en el cultivo sumergido d	de S.
equi subsp. zooepidemicus	93

ÍNDICE DE TABLAS

Tabla 1. Aplicaciones médicas del ácido hialurónico. Tomada y adaptada de
Tamer (2013)8
Tabla 2. Aplicaciones del ácido hialurónico en la liberación controlada de
fármacos. Tomada y adaptada de Tamer (2013)9
Tabla 3. Consumo de glucosa respecto al nivel de CGI empleado en el cultivo
sumergido estático de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i>
Tabla 4. Parámetros cinéticos estimados para el crecimiento de S. equi subsp.
zooepidemicus en cultivo sumergido estático respecto al nivel de CGI 34
Tabla 5. Parámetros cinéticos estimados para la producción de HA por cultivo
sumergido estático de S. equi subsp. zooepidemicus respecto al nivel de CGI 36
Tabla 6. Consumo de glucosa respecto al nivel de agitación en el cultivo
sumergido <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i>
Tabla 7. Parámetros cinéticos estimados para el crecimiento de S. equi subsp.
zooepidemicus en cultivo sumergido respecto al nivel de agitación
Tabla 8. Parámetros cinéticos estimados para la producción de HA por cultivo
sumergido de S. equi subsp. zooepidemicus respecto al nivel de agitación 44

ÍNDICE DE FIGURAS

Figura 1. Fórmula estructural del ácido hialurónico (Boeriu et al., 2013) 6
Figura 2. Ruta de biosíntesis de ácido hialurónico en estreptococos. Tomada y
adaptada de Fong Chong et al., 200511
Figura 3. Tinción Gram de S. equi subsp. zooepidemicus, observada al
microscopio óptico (1000 X)
Figura 4. Cultivo sumergido estático de S. equi subsp. zooepidemicus con una CGI
de 2.5 g/L. Glucosa (•), pH (○), D.O. ₅₆₀ (▲) y HA (♦)
Figura 5. Concentración de glucosa durante el cultivo sumergido estático de S.
equi subsp. zooepidemicus. CGI 2.5 (●), CGI 5 (●), CGI 10 (●)
Figura 6. Cambio de pH durante el cultivo sumergido estático de S. equi subsp.
zooepidemicus. CGI 2.5 (o), CGI 5 (o), CGI 10 (o)
Figura 7. Concentración de proteína soluble durante el cultivo sumergido estático
de <i>S. equi</i> subsp. <i>zooepidemicus</i> . CGI 2.5 (■), CGI 5 (■), CGI 10 (■)
Figura 8. Biomasa producida durante el cultivo sumergido estático de S. equi
subsp. zooepidemicus. CGI 2.5 (x), CGI 5 (x), CGI 10 (x)
Figura 9. Producción de ácido hialurónico en cultivo sumergido estático de S. equi
subsp. zooepidemicus. CGI 2.5 (♦), CGI 5 (♦), CGI 10 (♦)
Figura 10. Cultivo sumergido de S. equi subsp. zooepidemicus con una agitación
de 400 rpm y 1 vvm de aireación. Glucosa (●), pH (○), D.O. ₅₆₀ (▲) y HA (♦) 37
Figura 11. Concentración de glucosa durante el cultivo sumergido agitado de 38
Figura 12. Cambio de pH durante el cultivo sumergido agitado de S. equi subsp.
zooepidemicus. 0 rpm (o), 200 rpm (o), 400 rpm (o), 600 rpm (o)
Figura 13. Concentración de proteína soluble determinada durante el cultivo
sumergido agitado de S. equi subsp. zooepidemicus. 0 rpm (■), 200 rpm (■), 400
rpm (■), 600 rpm (■)
Figura 14 Biomasa producida durante el cultivo sumergido agitado de S. equi
subsp. zooepidemicus. 0 rpm (\mathbf{x}), 200 rpm (\mathbf{x}), 400 rpm (\mathbf{x}), 600 rpm (\mathbf{x})
Figura 15. Producción de ácido hialurónico en cultivo sumergido agitado de S. equi
subsp. zooepidemicus. 0 rpm (♦), 200 rpm (♦), 400 rpm (♦), 600 rpm (♦)

Figura 16. Espectros de FTIR del HA producido en este trabajo y del HA
comercial45
Figura 17. Espectro ¹ H-NMR del HA comercial47
Figura 18. Espectro ¹ H-NMR del HA producido en cultivo sumergido de S. equ
subsp. zooepidemicus48
Figura 19. Cromatograma de SEC correspondiente a un reactivo comercial de HA
(-) Detector de dispersión de luz, (-) Detector de índice de refracción 49
Figura 20. Cromatograma de SEC del HA producido por cultivo sumergido de S
equi subsp. zooepidemicus con una agitación de 400 rpm. (-) Detector de
dispersión de luz, (-) Detector de índice de refracción50
Figura 21. Perfil del peso molecular (M _w) del HA obtenido en el cultivo sumergido
de S. equi subsp. zooepidemicus, con CGI de 5 g/L, agitación de 400 rpm y
aireación de 1 vvm 51

ABREVIATURAS

ANOVA Análisis de varianza

ATCC American Type Culture Collection

ATP Adenosín trifosfato

ATR Reflectancia total atenuada

BHI Infusión de cerebro y corazón

BSA Seroalbúmina bovina

CGI Concentración de glucosa inicial

CTAB Bromuro de cetiltrimetilamonio

Da Dalton

DNS Ácido 3,5-dinitrosalicílico

D.O. Densidad óptica

FTIR Infrarrojo por Transformada de Fourier

h Hora

HA Ácido hialurónico

HasA Hialuronato sintasa

¹**H-NMR** Resonancia magnética nuclear de protón

min Minuto

M_w Peso molecular ponderal promedio

Pha Productividad volumétrica de HA

rpm Revoluciones por minuto

SEC Cromatografía de exclusión por tamaño

SSI Solución salina isotónica

TS Soya y tripticaseína

v/v Volumen/volumen

vvm Volumen de aire por volumen de medio por minuto

UDP Uridina difosfato

UTP Uridina trifosfato

UFC Unidades formadoras de colonias

YHA/S Rendimiento de producto a partir del sustrato

RESUMEN

El ácido hialurónico (HA) es un biopolímero lineal que se encuentra presente en todos los vertebrados y es producido por algunas bacterias como *Pasteurella multocida* y ciertas cepas de *Streptococcus*, *Lactobacillus* y *Bifidobacterium*. Este biopolímero y sus derivados poseen diversas aplicaciones en las áreas médica y cosmética.

El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto de la concentración de glucosa inicial o CGI (2.5, 5 y 10 g/L), así como de la agitación (0, 200, 400 y 600 rpm) en la producción de HA por cultivo sumergido de *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* en caldo de soya y tripticaseína.

En la primera etapa de este trabajo se encontró que había una mayor producción de biomasa al aumentar la concentración de sustrato inicial. Asimismo, se incrementó la producción de HA al modificar la CGI de 2.5 a 5 g/L, pero no hubo diferencia en la producción del biopolímero para los niveles más altos de glucosa inicial. En el cultivo con una CGI de 5 g/L se obtuvieron 0.24 g/L de HA, con un rendimiento (YHA/S) de 0.069 ± 0.006 gHA/gglucosa.

En la segunda etapa de este estudio, se observó que la agitación incrementó la producción y rendimiento del biopolímero, obteniéndose los mejores resultados con los niveles de agitación de 400 y 600 rpm, con una producción de biopolímero de 0.54 y 0.55 g/L de HA, respectivamente. En el cultivo agitado a 400 rpm, el rendimiento del biopolímero (YHA/S) fue 2.26 veces mayor en comparación con el cultivo estático correspondiente.

El biopolímero obtenido en cada experimento fue extraído y purificado, encontrándose que presentaba las bandas características del HA en los espectros de FTIR. Asimismo, el biopolímero producido en cultivo sumergido agitado 400 rpm de agitación presentó un espectro de ¹H-NMR similar al del HA comercial. Por

otro lado, los pesos moleculares de las muestras de biopolímero obtenidas en el cultivo sumergido con agitación de 400 rpm se encontraron en el intervalo de 8.95 \times 10⁵ - 1.89 \times 10⁶ Da y presentaron un bajo índice de polidispersidad (1.04-1.21).

ABSTRACT

Hyaluronic acid (HA) is a linear biopolymer that is present in all vertebrates and is produced by some bacteria such as *Pasteurella multocida* and certain strains of *Streptococcus*, *Lactobacillus* and *Bifidobacterium*. This biopolymer and its derivatives have important applications in medical and cosmetic fields.

The objective of this work was to evaluate the effect of the initial glucose concentration or CGI (2.5, 5 and 10 g/L), as well as the agitation (0, 200, 400 and 600 rpm) in the production of HA by submerged culture of *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* in trypticase soy broth.

In the first stage of this work, it was found that there was a greater biomass production with the increase of the initial substrate concentration. Moreover, the production of HA was increased when the CGI was modificated from 2.5 to 5 g/L; however, there was no difference in the production of the biopolymer within the highest levels of CGI. In the cultivation with 5 g/L of initial glucose, 0.24 g/L of HA were produced, with a yield $(Y_{HA/S})$ of $0.069 \pm 0.006 \, g_{HA}/g_{glucose}$.

In the second stage of this study, it was found that agitation increased the production and yield of the biopolymer; the best results were obtained with impeller speeds of 400 and 600 rpm, with 0.54 and 0.55 g/L of HA produced, respectively. In the culture with an impeller speed of 400 rpm, the yield of the biopolymer (YHA/S) was 2.26 times greater than that of the corresponding static culture.

The biopolymer produced in each experiment was extracted and purified, showing the characteristic peaks of HA in the FTIR spectra. Moreover, the biopolymer produced in submerged cultivation with an impeller speed of 400 rpm showed a similar $^1\text{H-NMR}$ spectrum to that of the commercial HA. On the other hand, the molecular weights of the samples obtained via submerged cultivation at 400 rpm were in the range of 8.95 x 10^5 - 1.89 x 10^6 Da and showed a low polidispersity index (1.04-1.21).

1. INTRODUCCIÓN

En 1934, Karl Meyer y John Palmer aislaron un nuevo polisacárido del humor vítreo de bovinos, compuesto por un ácido urónico y un aminoazúcar. Lo llamaron ácido hialurónico. El ácido hialurónico (HA) es un biopolímero lineal, compuesto por unidades de disacárido de *N*-acetil-*D*-glucosamina y ácido *D*-glucurónico, unidos por enlaces glucosídicos β(1→3) y β(1→4) (Fong Chong *et al.*, 2005). Este biopolímero se encuentra presente en el tejido conectivo, siendo el componente principal de la matriz extracelular. El HA está presente en todos los vertebrados, encontrándose en altas concentraciones en el cordón umbilical, en el fluido sinovial, en la piel y en el humor vítreo, además de ser producido por bacterias, como *Pasteurella multocida* y algunas cepas de los géneros de *Streptococcus*, *Lactobacillus* y *Bifidobacterium* (Vázquez *et al.*, 2013; Boeriu *et al.*, 2013; DeAngelis *et al.*, 1998; Lee Ching *et al.*, 2013).

El HA y sus derivados poseen diversas aplicaciones en las áreas médica y cosmética (Fong Chong *et al.*, 2005). Las funciones biológicas del HA dependen de su peso molecular, siendo los polímeros de alto peso molecular los preferidos para las aplicaciones biomédicas y dermatológicas, por sus propiedades de relleno, anti-angiogénicas e inmunosupresoras. El HA y sus derivados se emplean en la viscosuplementación de pacientes con artritis, en cirugías oculares, en la regeneración de tejidos, así como en cosméticos anti-edad y en cirugía plástica (Kogan *et al.*, 2007).

La fuente tradicional de obtención del HA son las crestas de gallo, siendo el tejido animal con mayor contenido de este biopolímero (7.5 mg/mL) (Kogan *et al.*, 2007). La extracción de HA de alto peso molecular y con una alta pureza a partir de fuentes animales es un proceso difícil, debido a que suele encontrarse presente en forma de complejos con otros biopolímeros (como los proteoglicanos). Los métodos de extracción de HA requieren el uso de enzimas proteolíticas, precipitación con cloruro de cetilpiridinio, con disolventes acuosos u orgánicos, uso

de detergentes, además de ultrafiltración y cromatografía para eliminar impurezas. De este modo, la extracción de HA de fuentes animales es un proceso costoso, laborioso, que consume una gran cantidad de tiempo y que genera una importante cantidad de residuos (Boeriu *et al.*, 2013; Vázquez *et al.*, 2013). Además, el HA obtenido de esta forma, puede inducir reacciones alérgicas en los usuarios, debido a su origen avícola (Kogan *et al.*, 2007).

El HA también puede obtenerse por fermentación microbiana, ya que es sintetizado como una cápsula extracelular de algunas cepas bacterianas del género *Streptococcus*, del grupo A y C de Lancefield (Fong Chong *et al.*, 2005). La cepa más comúnmente empleada es *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* (Liu *et al.*, 2011). El HA producido vía bacteriana es idéntico al de los animales, lo que lo hace ideal para aplicaciones en el área biomédica (Boeriu *et al.*, 2013). El objetivo del presente trabajo fue la producción de HA por cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*, en caldo soya tripticaseína, evaluando el efecto de la concentración de glucosa inicial (CGI), así como de la agitación en el rendimiento y características químicas del producto obtenido.

2. MARCO TEÓRICO

2.1 Ácido hialurónico

El HA (Figura 1) es un biopolímero compuesto por unidades repetidas del disacárido N-acetil-D-glucosamina y ácido D-glucurónico, unidos por enlaces glucosídicos $\beta(1\rightarrow 3)$ y $\beta(1\rightarrow 4)$. Ambos azúcares están en la configuración β , lo que permite que todos los grupos voluminosos (carboxilo, hidroxilos y el carbono anomérico del azúcar adyacente) se encuentren en posición ecuatorial, mientras que los pequeños átomos de hidrógeno ocupan las posiciones axiales. De este modo, la estructura del disacárido es muy estable energéticamente (Tamer, 2013).

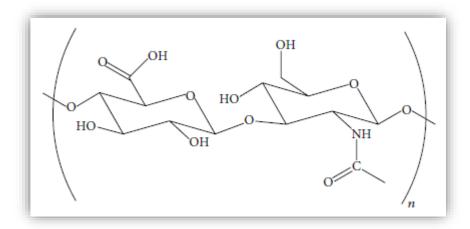


Figura 1. Fórmula estructural del ácido hialurónico (Boeriu et al., 2013)

Este biopolímero es miembro de la familia de los glicosaminoglicanos, que incluye al sulfato de condroitina, sulfato de queratina y sulfato de heparina, siendo estructuralmente el más simple de ellos, ya que no se encuentra covalentemente asociado a un núcleo proteico, ni es sintetizado en el aparato de Golgi, además de ser el único que no está sulfatado (Boeriu *et al.*, 2013; Kogan *et al.*, 2007).

Los pesos moleculares del HA de diferentes fuentes son variables, encontrándose entre 10⁴ y 10⁷ Da (Liu *et al.*, 2011). El HA en soluciones acuosas, la molécula ocupa un gran volumen hidrodinámico, e incluso a bajas concentraciones (< 1 mg/L) las cadenas son capaces de interactuar para formar redes. Estas

características estructurales, que son altamente dependientes del peso molecular, le confieren al polímero su reología viscoelástica y la habilidad de retener grandes volúmenes de agua, que son determinantes para las funciones fisiológicas del HA (Armstrong y Johns, 1997).

2. 2 Funciones biológicas del ácido hialurónico

En el cuerpo humano, el HA se encuentra en la forma de sal de hialuronato, (Liu *et al.*, 2011). El HA permite inmovilizar el agua de los tejidos, cambiando su volumen y compresibilidad. Además de servir como matriz celular, este biopolímero influye también en la proliferación y diferenciación celular, así como en la reparación de tejidos. En la piel, el HA presenta una función antioxidante, neutralizando los radicales libres generados por la radiación ultravioleta. En el fluido sinovial, el HA ayuda a lubricar las articulaciones y actúa como amortiguador de impactos mecánicos. En el cartílago, el HA es un elemento importante de la matriz, formando parte del agrecano, un proteoglicano de gran tamaño de sulfato de condroitina, cuyo arreglo macromolecular es posible gracias a interacciones específicas de proteínas con HA (Kogan *et al.*, 2007).

Las funciones biológicas del HA dependen de su peso molecular. Los polímeros de HA de alto peso molecular ($M_W > 5 \times 10^5 \text{ Da}$) son rellenadores de espacio, antiangiogénicos e inmunodepresivos; las cadenas de HA de mediano peso (M_W entre 2 x 10^4 - 10^5 Da) se encuentran involucradas en la ovulación, la embriogénesis y la reparación de heridas; los oligosacáridos con 15-50 unidades repetidas de disacárido (M_W entre 6 x 10^3 - 2 x 10^4 Da) son inflamatorios, inmunoestimuladores y angiogénicos, mientras que los pequeños oligómeros de HA (M_W de 400 a 4000 Da) son antiapoptóticos e inductores de proteínas de choque térmico (Boeriu *et al.*, 2013).

2.3 Aplicaciones del ácido hialurónico

El uso de HA en aplicaciones médicas fue posible gracias a Endre Balazs, quien en 1979 reportó un método que permitía obtener por primera vez HA no inflamatorio, altamente purificado y de alto peso molecular a partir de cordón umbilical y crestas de gallo (Liu et al., 2011). Ese mismo año salió a la venta el primer producto comercial de HA, Healon de Pharmacia (ahora Pfizer), empleándose en diversas cirugías oculares como la extracción de cataratas y el trasplante de córnea (Fong Chong et al., 2005).

En la Tabla 1 se presentan algunas de las aplicaciones médicas del HA, así como los productos comerciales empleados.

Tabla 1. Aplicaciones médicas del ácido hialurónico. Tomada y adaptada de Tamer (2013)

Condición	Aplicación	Producto comercial
Osteoartritis	Lubricación y soporte	Hyalgan (Fidia, Italia)
	mecánico para las	Artz (Seikagaku, Japón)
	articulaciones	ORTHOVISC (Anika,
		Estados Unidos)
		Healon, Opegan y Opelead
Recuperación	Implantación de lentes	Bionect, Connecttivina y
quirúrgica y de	intraoculares artificiales, gel	Jossalind
heridas	viscoelástico	
Implantación de	Medio de cultivo para el uso de	Embryoglue (Vitrolife,
embriones	la fertilización in vitro	Estados Unidos)

En dermatología, se emplean algunas preparaciones de HA ligeramente entrecruzado, con la finalidad de rellenar arrugas faciales y cicatrices (Kogan *et al.*, 2007). En cirugía cosmética, el HA, en forma estabilizada o en combinación

con otros polímeros, es utilizado como componente de rellenos dérmicos (como Hylaform, Restylane y Dermalive). Se ha reportado que la inyección de estos productos en la dermis puede reducir las arrugas y líneas faciales a largo plazo, con menos efectos secundarios y una mejor tolerancia comparado con el uso de colágeno (Tamer, 2013).

Además, se ha estudiado la aplicación en la liberación controlada de fármacos, como se muestra en la Tabla 2.

Tabla 2. Aplicaciones del ácido hialurónico en la liberación controlada de fármacos. Tomada y adaptada de Tamer (2013)

Ruta	Justificación	Agente terapéutico
Oftálmica	Mayor residencia ocular del	Pilocarpina, tropicamida,
	fármaco, lo que puede llevar a un	timolol, tobramicina,
	aumento en la biodisponibilidad	poliéster de arecaidina,
		aceclidina
Nasal	Bioadhesión resultante en una	Xilometazolina,
	mayor biodisponibilidad	vasopresina, gentamicina
Pulmonar	Mejor absorción y modificación de	Insulina
	la tasa de disolución	
Parenteral	Acarreador de fármacos y	Taxol, superóxido
	facilitador del entrampamiento	dismutasa, factor de
	liposomal	crecimiento recombinante
		tipo insulina, doxorubicina
Implante	Modificación de la tasa de	Insulina
	disolución	
Génica	Modificación y protección de la tasa	DNA plasmídico/
	de disolución	anticuerpos
		monoclonales

2.4 Producción de ácido hialurónico por Streptococcus

Las bacterias del género *Streptococcus* son células Gram positivas, con forma esférica que se encuentran formando pares o cadenas. Estas bacterias son catalasa negativa, no esporulan y no presentan motilidad; la gran mayoría son anaerobias facultativas o anaerobias aerotolerantes y obtienen su energía mediante un metabolismo anaerobio (Hardie y Whiley, 1997, Gobetti y Calasso, 2014). Los estreptococcos de los grupos A y C de Lancefield producen HA como una cápsula extracelular, misma que los protege de la fagocitosis y podría facilitar la adherencia e invasión de tejidos (Marcellin *et al.*, 2009). Además, la cápsula extracelular de HA, así como la enzima superoxido dismutasa, ayudan a estas bacterias a protegerse del oxígeno (Cleary y Larkin, 1979).

La fermentación microbiana para la obtención de HA se lleva a cabo con las bacterias del grupo C del género *Streptococcus*, que tienen una alta productividad y no son patógenos humanos. Las cepas más comúnmente empleadas son *S. equi* subsp. *equi* y *S. equi* subsp. *zooepidemicus* (Boeriu *et al.*, 2013).

La biosíntesis de HA es un proceso que compite con el crecimiento celular (Boeriu et al., 2013). La ruta biosintética del HA en estreptococos se presenta en la Figura El ácido D-glucurónico y la N-acetilglucosamina del HA provienen de la glucosa-6-fosfato y de la fructosa-6-fosfato, respectivamente (Fong Chong et al., 2005). La ruta de biosíntesis de HA puede dividirse en dos series de reacciones. En la primera serie, la glucosa-6-fosfato se convierte en glucosa-1-fosfato por la αfosfoglucomutasa. Luego, la UDP-glucosa pirofosforilasa agrega UTP a la glucosa-1-fosfato, produciento UDP-glucosa. Finalmente, la oxidación del alcohol primario de la UDP-glucosa es catalizada por la UDP-glucosa deshidrogenasa, obteniéndose el primer precursor del HA. En la segunda serie de reacciones, la glutamina fructosa-6-fosfato amidotransferasa transfiere un grupo amino de la glutamina fructosa-6-fosfato. produciendo glucosamina-6-fosfato. а la Posteriormente, la fosfoglucosamina mutasa cataliza un rearreglo del grupo

fosfato, formándose la glucosamina-1-fosfato. En la siguiente reacción, la fosfoglucosamina acetil transferasa produce *N*-acetilglucosamina. Finalmente, la *N*-acetilglucosamina-1-fosfato pirofosforilasa produce el segundo precursor del HA, la UDP-*N*-acetilglucosamina (Liu *et al.*, 2011).

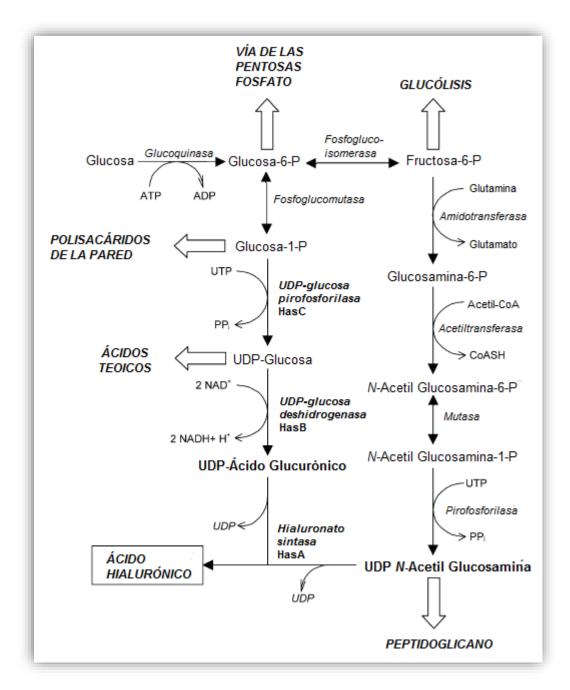


Figura 2. Ruta de biosíntesis de ácido hialurónico en estreptococos. Tomada y adaptada de Fong Chong *et al.*, 2005.

La participación del UTP en estas reacciones genera donadores glicosilo activados que pueden ser polimerizados en HA por la hialuronato sintasa (HasA). Un total de 4 moles de ATP son consumidos para producir 1 mol del disacárido que constituye la unidad repetida del HA; dos moles son consumidos para producir los precursores de hexosa fosforilados en la reacción catalizada por la glucoquinasa, y otros dos moles de ATP utilizados para regenerar las especies donadoras UTP (Fong Chong *et al.*, 2005).

Además de proporcionar los precursores para la síntesis de HA, en esta ruta metabólica se producen otros intermediarios involucrados en la síntesis de la pared celular, específicamente del peptidoglicano, los ácidos teicoicos y los polisacáridos antigénicos de la pared; estos tres componentes principales de la pared celular constituyen un 20 % en masa del peso seco de la célula y representan una desviación importante de las reservas de precursores para la síntesis del HA (Fong Chong *et al.*, 2005).

2.4.1 Condiciones de fermentación empleadas en la producción de ácido hialurónico

Las condiciones de cultivo, como el pH, la temperatura, la tasa de agitación y el tipo de biorreactor son factores que influyen en la producción microbiana de HA (Liu *et al.*, 2011).

En la producción de HA por *S. zooepidemicus* se emplea un pH cercano a la neutralidad y una temperatura de 37 °C (Fong Chong *et al.*, 2005).

Johns et al. (1994), reportaron que el pH óptimo para la producción de HA era de 6.7, ya que a este pH se obtuvo un buen rendimiento y la mayor tasa de producción volumétrica del biopolímero. Además, el pH al que se presentó la tasa de crecimiento específica más alta fue de 6.5 y mientras más alcalino era el pH del medio, la tasa de crecimiento específica de la bacteria disminuía. Por otro lado,

Armstrong y Johns (1997) encontraron que el pH no afectaba el peso molecular ni la polidispersidad del HA obtenido por fermentación de *S. zooepidemicus* en un rango de pH de 6.3 a 8.0.

En 2010, Jagannath y Ramachandran estudiaron el efecto de la temperatura en la producción de HA por *S. zooepidemicus*, cultivando la bacteria en un rango de temperaturas de 27 a 37 °C. Encontraron que la mayor tasa de crecimiento específica de la bacteria se obtuvo en el cultivo a 37 °C, pero fue en el cultivo a 35 °C en el que se produjo la mayor cantidad de biopolímero. Estos resultados fueron similares a los obtenidos por Armstrong y Johns (1997), que produjeron HA por cultivo sumergido de *S. zooepidemicus* a temperaturas de 32 a 40 °C, encontrando que los cultivos a bajas temperaturas producían más biopolímero, pero crecían más lento que aquellos a 40 °C.

La aireación, por su parte, también presenta un efecto significativo en el rendimiento de HA, obteniéndose una mayor producción y un mayor rendimiento del biopolímero en medio aireado en relación con el medio anaerobio (Johns *et al.*, 1994).

En 2006, Huang *et al.*, encontraron que al suministrar oxígeno a un cultivo de *S. zooepidemicus*, la producción de HA aumentó de 1.5 a 2.3 g/L, comparado con un cultivo de la bacteria en condiciones anaeróbicas. Este resultado fue atribuido a un posible efecto estimulante del oxígeno, respecto al cual concluyeron que debía ser suministrado al medio en al menos un 5% de la saturación del aire para poder obtener el máximo efecto estimulante. Por otro lado, en un estudio realizado por Duan *et al.* (2008), se encontró que la expresión del gen *has*, que codifica cinco enzimas que participan en la biosíntesis de HA, así como la actividad de la enzima HasA aumentaban alrededor de nueve y dos veces, respectivamente, en condiciones aerobias comparado con condiciones anaerobias, en el cultivo sumergido de *S. zooepidemicus* G1. Además, estos mismos autores reportaron

que la aireación contribuía a la producción de ATP, posiblemente debido a una alta formación de acetato.

La producción de HA se realiza principalmente en lote, obteniéndose un biopolímero con un peso molecular que suele estar en el intervalo de 1 x10⁶ a 2.5 x 10⁶ Da (Armstrong y Johns, 1997). También se ha explorado la producción de este biopolímero en lote alimentado; en 2009, Vázquez *et al.* produjeron ácido láctico y HA en lote y lote alimentado por cultivo sumergido de *S. zooepidemicus* en un medio complejo, logrando una mayor producción en el sistema de lote alimentado.

La fermentación de HA en modo continuo no ha logrado desarrollarse aún, debido a la inestabilidad del fenotipo productor de HA en los estreptococos a altas tasas de dilución, obteniéndose una baja productividad volumétrica (Fong Chong *et al.*, 2005).

2.4.2 Medios de cultivo empleados en la producción de ácido hialurónico

Los estreptococos son bacterias nutricionalmente exigentes en cuanto a sus requerimientos, por lo que necesitan cultivarse en un medio complejo (Fong Chong *et al.*, 2005).

La fuente de carbono empleada en la producción de HA por estreptococos suele ser glucosa (Boeriu *et al.*, 2013), aunque algunos autores reportaron la utilización de sacarosa y almidón (Liu *et al.*, 2008; Zhang *et al.*, 2006).

En 2009, Im *et al.*, estudiaron la producción de HA por *Streptococcus* sp. ID9102, empleando nueve fuentes de carbono diferentes (glucosa, fructosa, galactosa, manosa, lactosa, sacarosa, xilosa, dextrina y almidón soluble). Se encontró que esta bacteria podía crecer y producir HA en todas las fuentes de carbono

empleadas y que la mayor producción del biopolímero se obtuvo con el medio que contenía glucosa.

Don y Shoparwe (2009) estudiaron el efecto de la concentración de glucosa en la producción de HA, en lote aireado y agitado, encontrando que al incrementar la concentración inicial de glucosa de 10 a 40 g/L, se obtenía una mayor producción de este biopolímero, pero a concentraciones de sustrato superiores a 50 g/L había un descenso en la producción de HA, lo cual fue atribuido a un efecto de inhibición por sustrato.

Por otro lado, Pires y Santana (2010), encontraron que la concentración de glucosa no presentaba un efecto significativo en la producción de biomasa y HA en cultivo por lotes, no aireados, salvo cuando el medio no tenía glucosa, en cuyo caso se presentó una menor producción de HA.

En la producción de HA se han empleado diversas fuentes de nitrógeno complejas como extracto de levadura, triptona, peptona de soya y polipeptona (Vázquez *et al.*, 2010; Patil *et al.*, 2011; Pires *et al.*, 2010; Don y Shoparwe, 2009, Duan *et al.*, 2008).

En 2011, Zee-Wei *et al.*, estudiaron el efecto de la fuente de nitrógeno en la producción de HA por *S. zooepidemicus*, empleando extracto de levadura, triptona y una mezcla de extracto de levadura con triptona como fuentes de nitrógeno complejas, así como (NH₄)₂S₂O₈ y (NH₄)₃PO₄ como fuentes de nitrógeno inorgánicas. Ellos encontraron que las fuentes de nitrógeno complejas favorecían el crecimiento y la producción de HA por la bacteria, mientras que los peores rendimientos de biomasa y HA se obtuvieron al emplear (NH₄)₂PO₄. Además, la bacteria presentó muy bajo crecimiento y no produjo HA en el medio que contenía (NH₄)₂S₂O₈.

En 2009, Im *et al.*, estudiaron el efecto de la fuente de nitrógeno en la producción de HA por *Streptococcus* sp. ID9102, usando fuentes orgánicas complejas y fuentes inorgánicas. Ellos encontraron que la bacteria no creció en ningún medio que contenía fuentes de nitrógeno inorgánicas, pero que la bacteria sí fue capaz de crecer y producir el biopolímero en los medios con fuentes de nitrógeno complejas. Fueron de especial importancia los medios que contenían extracto de levadura y peptona de caseína, ya que permitieron obtener la mayor producción de HA.

En 2012, Benedini estudió la producción de HA en cultivo sumergido suplementado con peptonas vegetales (peptona de trigo, de papa, de soya y una mezcla de peptonas vegetales), obteniendo la mayor producción de este biopolímero en el medio que contenía peptona de soya.

También se ha explorado el uso de algunos desechos agroindustriales en la producción de este biopolímero. En el trabajo de Vázquez *et al.* (2010) se produjo HA en un medio que contenía aguas residuales del procesamiento de mejillones y peptona de vísceras de atún, como fuentes de carbono y nitrógeno, respectivamente, reduciendo el costo de producción en más de 50%, en relación al medio control que contenía glucosa y triptona.

3. JUSTIFICACIÓN

El HA es un biopolímero de alto valor, ya que éste y sus derivados poseen importantes aplicaciones en el área médica y cosmética (Kogan *et al.*, 2007).

En la actualidad, el HA se extrae tanto de tejidos animales (crestas de gallo) como por fermentación microbiana. Sin embargo, el HA extraído de fuentes animales requiere una purificación extensiva, siendo un proceso costoso, laborioso y que genera una gran cantidad de residuos químicos (Boeriu *et al.*, 2013; Vázquez *et al.*, 2013).

El HA producido por vía microbiana se extrae con relativa facilidad y con altos rendimientos. Además de que, al ser idéntico al HA animal, no es inmunogénico, por lo que representa una excelente fuente de HA de grado médico (Boeriu *et al.*, 2013).

Por lo tanto, el objetivo de este trabajo fue estudiar la producción y caracterización de HA por cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* ATCC 39920, en caldo de soya y tripticaseína, ya que este medio de cultivo no ha sido utilizado en la producción de este biopolímero.

4. HIPÓTESIS

La concentración de glucosa inicial y la agitación tienen un efecto en el rendimiento de HA producido por cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*.

5. OBJETIVOS

5. 1 Objetivo general

Estudio de la producción de ácido hialurónico mediante el cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*.

5. 2 Objetivos particulares

- Determinación del efecto de la concentración de glucosa inicial en la producción de HA.
- Determinación del efecto de la agitación en la producción del biopolímero.
- Caracterización química del HA obtenido.

6. METODOLOGÍA

6.1 Microorganismo

Se empleó la cepa *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* ATCC 39920, de la American Type Culture Collection (Manassas, VA, Estados Unidos).

La bacteria se adquirió en forma de un *pellet* liofilizado, el cual fue rehidratado con 0.5 mL de caldo de infusión de cerebro y corazón (BHI) (Anexo 11.1), y transferido a un tubo con 5 mL del mismo medio, incubándose a 37°C por 24 h, según las recomendaciones del proveedor. Posteriormente, se hizo una tinción Gram de la bacteria para verificar su pureza y morfología.

6.1.1 Conservación del microorganismo

La cepa se conservó en un cultivo *stock* en caldo BHI (15% v/v de glicerol) a - 20°C. Se agregaron 700 μL de un cultivo fresco de la bacteria (12 a 16 h de incubación, 37 °C) a un criovial con 300 μL de glicerol al 50 % v/v.

6.2 Preparación del inóculo

Se transfirieron 0.100 mL de un cultivo *stock* de la bacteria (en caldo BHI, 15 % v/v de glicerol) a un tubo con 5 mL de caldo BHI, mismo que se incubó a 37 °C por 24 h. Posteriormente, este cultivo se transfirió por estriado a un tubo de agar de soya y tripticaseína (TS) inclinado, el cual fue incubado a 37°C por 24 h. El inóculo se preparó transfiriendo asadas cargadas del cultivo en agar TS inclinado a un matraz Erlenmeyer con 200 mL de caldo TS (Anexo 11.2), incubándose a 37°C por 24 h.

6.2.2 Estandarización del inóculo

Con la finalidad de estandarizar el inóculo, se determinó la D.O.560 (Densidad Óptica a 560 nm) y las Unidades Formadoras de Colonias (UFC) del mismo, por triplicado. Las UFC se determinaron por el método de dilución y cuenta en placas. Se transfirió 1.0 mL del inóculo a un tubo con 9.0 mL de solución salina isotónica (SSI), obteniéndose así la dilución 10⁻¹, a partir de la cual se prepararon diluciones centesimales (10⁻³, 10⁻⁵, 10⁻⁷ y 10⁻⁹), se transfirieron 100 µL de cada dilución a placas de agar TS y se esparció el volumen uniformemente por toda la superficie de la placa con ayuda de una varilla de vidrio en forma de "L". Las placas fueron incubadas de forma invertida a 37 °C por 24 h y se realizó la cuenta en las placas que contenían de 30 a 300 colonias. Finalmente, las UFC presentes en cada placa se calcularon mediante la ecuación (1).

$$UFC/mL = \frac{\text{número de colonias}}{\text{(Dilución)(0.1 mL)}} \qquad (1)$$

6.3 Establecimiento del método turbidimétrico de cuantificación del ácido hialurónico

Se probaron dos modificaciones del método turbidimétrico del bromuro de cetiltrimetilamonio (CTAB) para la cuantificación de HA, de acuerdo con Chen y Wang (2009) y con Di Ferrante (1956).

En la modificación del método propuesta por Chen y Wang (2009), se agregó 1.0 mL de reactivo CTAB a 0.5 mL de la solución de HA (en agua desionizada), se homogeneizaron los tubos y se incubaron a 30 °C por 10 minutos. Se midió inmediatamente la D.O. de los tubos a 400 nm (Genesys 6, Thermo Spectronic, Estados Unidos), usando como blanco agua desionizada (tratada de la misma forma que las muestras). Las determinaciones se hicieron por triplicado (Anexo 11.1).

En el método propuesto por Di Ferrante (1956), se prepararon soluciones de HA en buffer de acetatos 0.2 M, a pH 6, con NaCl a una concentración de 0.15 M. Posteriormente, se colocaron 0.5 mL de las soluciones de HA en tubos de ensayo y estos se pusieron a incubar en baño de agua a 37 °C (Bio Rad, Estados Unidos) por 15 min. Luego, se agregó 1 mL del reactivo CTAB (previamente atemperado a 37 °C) y se mezcló el contenido del tubo por inversión. Finalmente, se determinó la D.O. a 400 nm, dentro de los primeros 10 min de haber agregado el reactivo CTAB. Las determinaciones se hicieron por triplicado y se empleó buffer de acetatos como blanco (tratado de la misma forma que las muestras) (Anexo 11.2).

Las curvas de calibración de ambos métodos de cuantificación se prepararon con HA comercial de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* (Sigma Aldrich, Estados Unidos).

6.4 CULTIVO SUMERGIDO

La producción de HA se realizó en cultivo sumergido de la bacteria S. equi subsp. zooepidemicus, con la finalidad de estudiar el efecto de la concentración de glucosa inicial, así como de la agitación y la aireación en el rendimiento y las características químicas del biopolímero obtenido.

6.4.1 Determinación del efecto de la concentración de glucosa inicial en cultivo sumergido estático

Como una primera etapa, se determinó el efecto de la concentración de glucosa inicial (CGI) en cultivo sumergido estático, en matraces Erlenmeyer de 125 mL. El volumen de trabajo fue de 50 mL, con un 10 % v/v de inóculo. Se utilizó caldo TS, con un pH inicial de 7.5, el cual se ajustó con una solución de NaOH 1 M. Se estudiaron tres niveles de CGI: 2.5, 5 y 10 g/L. Los matraces con caldo TS y una solución de glucosa fueron esterilizados por separado a 121°C por 15 min, y la glucosa se agregó asépticamente al medio de cultivo antes de la inoculación. Los cultivos se incubaron a 37 °C, sin control de pH, tomándose muestras a las 0, 2, 4,

6, 8, 10, 12, 18, 24 y 48 h, por duplicado, a las cuales se les determinó la producción de biomasa, la D.O. 560, el consumo de glucosa, el pH, la concentración de proteína soluble y la producción de HA.

6.4.2 Determinación del efecto de la agitación en cultivo sumergido aireado

Con la finalidad de determinar el efecto de la agitación y la aireación en la producción de HA, se realizaron cultivos sumergidos en un biorreactor de 3 L con consola de control (Applikon, Holanda), empleándose un volumen de trabajo de 1.6 L. Los niveles de agitación probados fueron 200, 400 y 600 rpm, utilizando caldo TS con una CGI de 5 g/L, se ajustó el pH inicial del medio a 7.5 con una solución de NaOH 1 M. La glucosa se esterilizó por separado y se agregó asépticamente al medio previo a la inoculación. Las fermentaciones se efectuaron a 37 °C, sin control de pH y con una aireación de 1 vvm. Se tomaron muestras de 50 mL por duplicado a las 0, 2, 4, 6, 8, 10, 12, 24 y 48 h, a las cuales se les determinó la producción de biomasa, la D.O. 560, el consumo de glucosa, el pH, la concentración de proteína soluble y la producción de HA. Los resultados fueron comparados con el cultivo sumergido correspondiente al nivel de CGI de 5 g/L del sistema estático (0 rpm de agitación).

6.5 ANÁLISIS DE LAS MUESTRAS

6.5.1 Determinación del crecimiento bacteriano

Se determinó la biomasa del cultivo por el método gravimétrico. La biomasa se separó del medio líquido por centrifugación a baja temperatura (4 °C). Los cultivos del sistema estático fueron centrifugados a 8,000 rpm por 20 min (modelo Sorvall Legend XTR, Thermo Fisher Scientific, Alemania), mientras que la biomasa de los cultivos del sistema agitado se separó mediante una centrifugación a 12,000 rpm por 20 min (modelo J2-M1, Beckman, Estados Unidos), y el *pellet* fue lavado con

agua destilada. Finalmente, la biomasa se secó 110°C por 24 h. Además, se determinó la D.O.560 de las muestras, con un espectrofotómetro.

6.5.2 Determinación del consumo de glucosa

Los azúcares reductores se determinaron en el medio de cultivo libre de biomasa mediante el método colorimétrico del ácido 3,5-dinitrosalicílico (DNS) (Miller, 1959).

La técnica se llevó a cabo adicionando 0.5 mL de reactivo DNS a 0.5 mL de muestra (o una dilución de la misma), dentro de tubos de ensayo. Las soluciones se homogeneizaron con un vórtex y los tubos se incubaron a baño maría durante siete minutos. Finalmente, los tubos se enfriaron mediante un baño de agua con hielo y el contenido de los mismos se diluyó con 4 mL de agua destilada. Se midió la absorbancia de las muestras a 575 nm, después de homogeneizar el contenido de los tubos y se empleó agua destilada como blanco (tratada de la misma manera que las muestras). La concentración de azúcares reductores en la muestra se calculó con base en una curva de calibración con glucosa (Anexo 11.3).

6.5.3 Determinación del pH

El pH de las muestras del sistema estático fue determinado con un potenciómetro (modelo pH 210 Microprocessor pH Meter, Hanna Instruments, Estados Unidos) y el pH de las muestras del sistema agitado fue determinado *in situ* con un electrodo de pH acoplado a la consola del biorreactor (Applisens, Holanda).

6.5.4 Determinación de proteína soluble

La proteína soluble se determinó en el medio de cultivo libre de biomasa por el método de Lowry-Peterson (Peterson, 1977).

Para este análisis, se añadió 1 mL del reactivo A de Lowry a 1 mL de muestra (o una dilución de la misma), dentro de tubos de ensayo. Estos tubos fueron homogeneizados en un vórtex e incubados a 30 °C por 10 min. Posteriormente, se agregaron 0.5 mL del reactivo B de Lowry, homogeneizando nuevamente e incubando a 30 °C por 30 min. Finalmente, se midió la absorbancia de las soluciones a 750 nm. Las determinaciones se hicieron por triplicado y se empleó agua destilada (con el mismo tratamiento que las muestras) como blanco. La concentración de proteína en la muestra se calculó con base en una curva de calibración con Seroalbúmina bovina (BSA) (Anexo 11.4).

6.5.5 Extracción del ácido hialurónico

La extracción de HA se efectuó de acuerdo al procedimiento descrito por Pires y Santana (2010). El HA del medio libre de biomasa fue precipitado con etanol absoluto, en una proporción 1:1.5 (medio:etanol), dicha solución fue refrigerada a 4 °C durante 1 h. El HA se separó del medio por centrifugación a 8,000 rpm por 20 min y el *pellet* se redisolvió en una solución de NaCl 0.15 M. Se efectuaron tres pasos de precipitación y redisolución del HA. El *pellet* correspondiente a la tercera precipitación con etanol fue liofilizado (LABCONCO, Estados Unidos) para análisis posteriores.

6.5.6 Cuantificación del ácido hialurónico

La concentración del HA se determinó por el método turbidimétrico CTAB reportado por Di Ferrante (1956). (Anexo 11.2).

6.6. CARACTERIZACIÓN DEL ÁCIDO HIALURÓNICO

El biopolímero producido en este trabajo se caracterizó mediante espectroscopía de infrarrojo por transformada de Fourier (FTIR) y resonancia magnética nuclear de protón (¹H-NMR) con el objetivo de verificar la pureza y existencia de los grupos funcionales característicos del HA. Además, se determinó el peso molecular (Mw) y el índice de polidispersidad, que son parámetros importantes de calidad, mediante cromatografía de exclusión por tamaño (SEC).

6.6.1 Análisis por espectroscopía de infrarrojo FTIR

Las muestras liofilizadas se sometieron a un análisis de espectroscopía de FTIR, para detectar la presencia de los diferentes grupos amino, carboxilo e hidroxilo característicos del HA. Las muestras se pulverizaron y se obtuvieron los espectros de las mismas y del HA comercial, en un sistema de espectroscopía de FTIR con un accesorio de reflectancia total atenuada (ATR) equipado con un cristal de selenuro de zinc (modelo Spectrum 100 ATR-FTIR, Perkin Elmer, Estados Unidos) aplicando 16 escaneos por muestra, de 650 a 4000 cm⁻¹.

6.6.2 Análisis por resonancia magnética nuclear de protón ¹H-NMR

Se obtuvo el espectro ¹H-NMR de una muestra de HA producida en el cultivo agitado a 400 rpm, así como de un reactivo comercial de HA. Para la obtención de los espectros, se disolvieron 10 mg de cada muestra en 800 μL de D₂O, por 12 h a temperatura ambiente. La muestra de HA fue analizada en un espectrómetro Bruker AVANCE III 500 y el reactivo comercial de HA en un espectrómetro Bruker-Ultrashield 300, a 300 K, realizándose al menos 32 barridos de la muestra. Los espectros fueron analizados en el software SpinWorks 4.

6.6.3 Determinación del peso molecular del ácido hialurónico

Se empleó la técnica de SEC para determinar el peso molecular del HA obtenido en cada tiempo de muestreo del cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con agitación de 400 rpm. Se prepararon soluciones con una concentración de 1 mg/mL de muestra en buffer de fosfatos 1 M (pH=7), las cuales fueron filtradas en membranas de 0.25 µm. Posteriormente, las muestras fueron analizadas en un equipo HPLC Waters con automuestreador (Rev 3.1), con un detector multiángulo de dispersión de luz láser (Wyatt Technology DAWN EOS) y un detector de índice de refracción (Shimadzu/ UFCL RID – 10 A). Se emplearon las columnas PL aquagel OH mixed M 8 µm y PL aquagel OH mixed H 8 µm (Agilent, Estados Unidos), las cuales fueron dispuestas en serie y mantenidas a temperatura ambiente, el flujo de la fase móvil fue de 0.5 mL/min. La calibración del equipo se hizo con un estándar de pululano (200 KDa) y el análisis de los datos se realizó en el software Astra 6.1.

6.7 ANÁLISIS ESTADÍSTICO

Los datos fueron analizados estadísticamente por medio de un análisis de varianza (ANOVA), empleando un nivel de significancia (α) igual a 0.05. En los casos en que las variables estudiadas fueron significativas ($p \le 0.05$), se utilizó el método de comparación múltiple de medias de Tukey-Kramer, con un α = 0.05, a fin de conocer qué tratamientos presentaban diferencia significativa. Los análisis estadísticos se hicieron con el paquete NCSS 2007.

Por otro lado, los datos de producción de biomasa y de HA fueron modelados por Gompertz, como se muestra en la ecuación (2).

$$Y = Ae(-be^{(-\mu t)}) \tag{2}$$

Donde A es la máxima producción de biomasa o HA estimada por el modelo, b es un parámetro no biológico relacionado con las condiciones iniciales del cultivo, μ es la tasa de crecimiento o producción del biopolímero y t es el tiempo de cultivo (Zwietering et al., 1990). Se empleó el programa STATISTICA 7 para ajustar los datos al modelo.

VII RESULTADOS Y DISCUSIÓN

7.1 Microorganismo

El microorganismo fue propagado y se verificó su pureza mediante un análisis microscópico haciendo una tinción Gram del cultivo. Se observó que *S. equi* subsp. *zooepidemicus* era una bacteria Gram positiva, con forma de coco, con agrupaciones típicas de estreptococos, encontrándose como pares o cadenas (Figura 3).

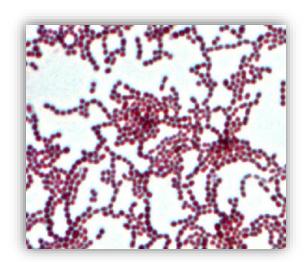


Figura 3. Tinción Gram de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*, observada al microscopio óptico (1000 X).

7.2 Estandarización del inóculo

Se determinó que el inóculo preparado a partir de agar TS inclinado presentaba una D.O. $_{560}$ de 0.823 ± 0.032 y 6.63×10^7 UFC/mL.

7.3 Establecimiento del método de cuantificación de HA

El método turbidimétrico CTAB se basa en la formación de complejos relativamente insolubles entre el HA y el reactivo CTAB. La cantidad de turbidez desarrollada cuando el CTAB es añadido a una solución de este biopolímero es proporcional a la cantidad de HA presente en el sistema (Di Ferrante, 1956).

Con el método turbidimétrico CTAB propuesto por Di Ferrante (1956) se determinaron concentraciones más altas dentro del intervalo lineal de la curva de calibración en comparación con la modificación propuesta por Chen y Wang (2009). Es por esto que se decidió seguir trabajando con el método turbidimétrico reportado por Di Ferrante (1956).

7.4 CULTIVO SUMERGIDO

7.4.1 Efecto de la concentración de glucosa inicial en cultivo sumergido estático

La primera etapa de este trabajo consistió en determinar el efecto de la CGI en la producción de HA por cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* en caldo TS, para lo cual se estudiaron tres niveles de CGI, que fueron 2.5, 5 y 10 g/L.

A continuación, se presentan los perfiles de biomasa (D.O.560), glucosa, HA y pH durante el cultivo estático con el nivel más bajo de CGI probado (Figura 4). El crecimiento de la bacteria se dividió en tres fases: una fase lag (0-2 h), una fase exponencial (2-8 h) y una fase estacionaria (8-48 h). Durante la fase exponencial hubo un rápido incremento de biomasa y de la concentración del producto (HA), lo cual se realizó a expensas de la fuente de carbono, que fue consumida durante las primeras 8 h de cultivo. Una vez que la bacteria entró en la fase estacionaria, la concentración de HA permaneció constante, lo cual concuerda con lo obtenido por

Duan *et al.* (2008), quienes mencionan que durante esta fase de crecimiento se pierde la capacidad de síntesis del biopolímero.

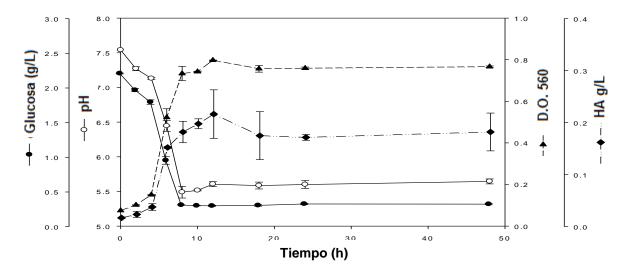


Figura 4. Cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con una CGI de 2.5 g/L. Glucosa (●), pH (○), D.O.₅₆₀ (▲) y HA (♦).

7.4.1.1 Consumo de glucosa

La glucosa fue el sustrato limitante empleado por la bacteria para su crecimiento y producción de HA. Como puede observarse, la fuente de carbono fue consumida durante las primeras 8-10 h de cultivo y después de este tiempo su concentración permaneció constante (Figura 5) (p< 0.0001, Anexo 11.9.1).

Se encontró que el consumo de glucosa fue afectado por la CGI y que dicho consumo fue mayor al aumentar el nivel de la misma (Tabla 3) (p= 0.0003, Anexo 11.9.2).

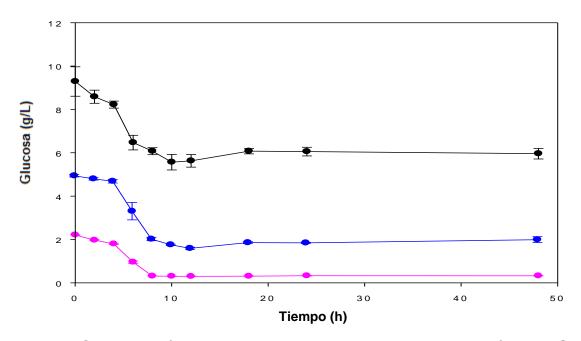


Figura 5. Concentración de glucosa durante el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. CGI 2.5 (•), CGI 5 (•), CGI 10 (•).

Tabla 3. Consumo de glucosa respecto al nivel de CGI empleado en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*.

CGI (g/L)	Consumo de		
	glucosa (g/L)*		
2.5	1.88 ± 0.01 ^a		
5	2.92 ± 0.04 ^b		
10	$3.32 \pm 0.08^{\circ}$		

^{*}Consumo de glucosa a las 48 h de cultivo

A pesar de que se incrementó el consumo de glucosa al aumentar la CGI, quedó una cantidad considerable de sustrato sin consumir, en los cultivos con CGI de 5 y 10 g/L. En 2010, Pires *et al.*, reportaron un comportamiento similar en cultivo sumergido de esta bacteria (en matraces con agitación), la cual sólo consumió de 3.61 a 19.9 g/L de fuente de carbono, a pesar de que ésta fue suministrada al

^{**}Las letras denotan grupos significativamente diferentes (ANOVA y prueba de Tukey-Kramer, α= 0.05)

medio en una concentración inicial de 45 g/L. Esto podría atribuirse a una deficiente transferencia de masa de los nutrientes hacia las células, pues se ha encontrado que conforme se produce el HA, aumenta la viscosidad del medio (Huang *et al.*, 2006).

7.4.1.2 Perfil de pH

Se presentó una disminución en el pH del medio (Figura 6), como consecuencia del metabolismo homoláctico fermentativo que presenta *S. equi* subsp. *zooepidemicus* en cultivo anaerobio (Johns *et al.*, 1994). Además, el pH final del cultivo correspondiente a la CGI de 2.5 g/L fue menor al pH final de los otros dos cultivos, posiblemente por una menor producción de ácido láctico debido a la limitación de la fuente de carbono comparado con los otros dos niveles de CGI.

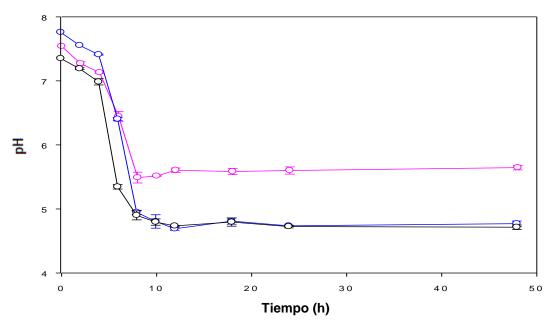


Figura 6. Cambio de pH durante el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. CGI 2.5 (\circ), CGI 5 (\circ), CGI 10 (\circ).

7.4.1.3 Proteína soluble

En la Figura 7 se observa que la concentración de proteína soluble no cambió durante el cultivo, para ninguno de los cultivos (p= 0.1198, p= 0.1583, p= 00667; Anexo 11.9.3), por lo que la bacteria no estuvo limitada por la fuente de nitrógeno.

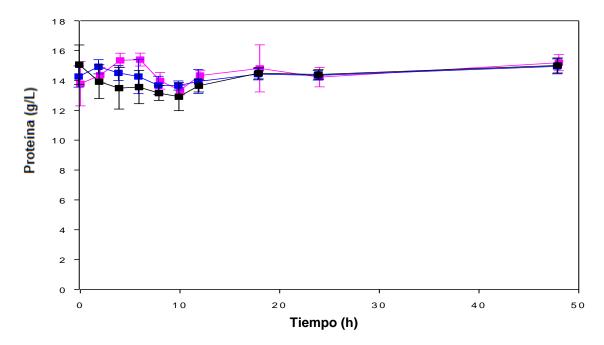


Figura 7. Concentración de proteína soluble durante el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. CGI 2.5 (■), CGI 5 (■), CGI 10 (■).

7.4.1.4 Crecimiento bacteriano

En la Figura 8, puede observarse que la bacteria se adaptó rápidamente a las condiciones de cultivo, presentando una fase exponencial corta de 8 h, seguida de una fase de crecimiento estacionario hasta las 48 h.

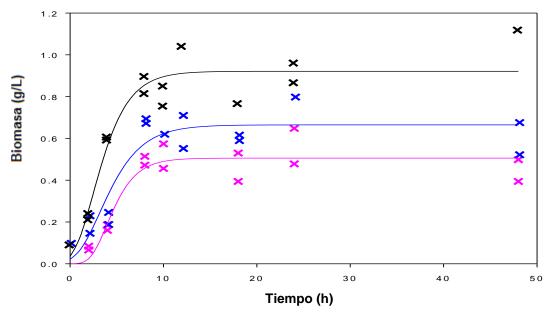


Figura 8. Biomasa producida durante el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. CGI 2.5 (x), CGI 5 (x), CGI 10 (x).

La CGI influyó en el crecimiento de la bacteria, obteniéndose un mayor crecimiento conforme se aumentó la concentración de la fuente de carbono (Tabla 4). Recordemos que el consumo de glucosa fue superior en los cultivos con los niveles más altos de CGI (5 y 10 g/L), lo cual se tradujo en una mayor producción de biomasa, debido a una mayor disponibilidad en la célula de fuente de carbono para biosíntesis y para la obtención de energía. Estos resultados coinciden por lo reportado por Zee-Wei et al. (2011), quienes encontraron que había una mayor producción de biomasa al incrementar la cantidad de fuente de carbono en el medio, de 20 a 30 g/L, en cultivo sumergido de *S. equi* subsp. zooepidemicus.

Tabla 4. Parámetros cinéticos estimados para el crecimiento de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* en cultivo sumergido estático respecto al nivel de CGI.

CGI (g _{Glucosa} /L)	A (gBiomasa/L)	μ (h ⁻¹)	R ²
2.5	0.51	0.57	0.86
5	0.66	0.40	0.85
10	0.92	0.47	0.91

7.4.1.5 Producción de ácido hialurónico

El biopolímero fue producido durante las primeras 8 h de cultivo (Figura 9), conforme fue asimilada la fuente de carbono.

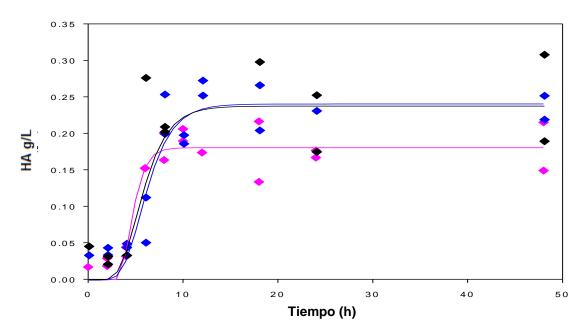


Figura 9. Producción de ácido hialurónico en cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. CGI 2.5 (♦), CGI 5 (♦), CGI 10 (♦).

En la tabla 5 se presentan los parámetros cinéticos estimados para la producción de HA, obtenidos como resultado de la variación en la CGI en el cultivo sumergido de la bacteria. Puede observarse que el aumento de la CGI de 2.5 a 5 g/L incrementó la producción del biopolímero, pero la producción de HA fue la misma para los cultivos con CGI de 5 y 10 g/L. Por otro lado, se encontró que ni el rendimiento ni la productividad volumétrica de HA (PHA) se vieron afectados por la CGI (p= 0.5317, p= 0.5243, respectivamente; Anexo 11.9.4).

Tabla 5. Parámetros cinéticos estimados para la producción de HA por cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* respecto al nivel de CGI.

CGI	Α	μ	R ²	Y _{HA} /S	Рна
(gglucosa/L)	(gha/L)	(h ⁻¹)		(gha/ gglucosa)	(gна/L· h)
2.5	0.18	1.13	0.89	0.088 ± 0.025^{a}	0.004 ± 0.001^a
5	0.24	0.54	0.87	0.069 ± 0.007^{a}	0.005 ± 0.0005^{a}
10	0.24	0.55	0.83	0.061 ± 0.027 ^a	0.005 ± 0.002^a

*Las letras denotan grupos significativamente

diferentes (ANOVA y prueba de Tukey-Kramer, α= 0.05)

La producción de HA bajo estas condiciones se encuentra dentro del intervalo obtenido por Pires *et al.* (2010), quienes produjeron de 0.10 a 0.89 g/L del biopolímero, en cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* en lote y con un alto suministro de fuente de carbono (45 g/L). Por otro lado, el rendimiento de HA coincide con lo reportado por Johns *et al.* (1994), quienes obtuvieron valores de entre 0.06 y 0.08 gHA/gglucosa, en cultivo anaerobio de *S. zooepidemicus*, dependiendo del pH del medio.

7.4.2 Efecto de la agitación en cultivo sumergido aireado

En la segunda etapa se optó por agitar y airear el medio de cultivo, con la finalidad de mejorar la transferencia de masa (nutrientes y oxígeno) en el medio, y con ello incrementar el consumo del sustrato y la producción de HA por cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. Para esto, se probaron tres niveles de agitación, que fueron 200, 400 y 600 rpm, con 1 vvm de aireación y con una CGI de 5 g/L (que fue el nivel de CGI con el que se obtuvo la mayor producción de biopolímero en la primera etapa). Los resultados obtenidos fueron comparados con el cultivo estático correspondiente (CGI de 5 g/L), el cual también se denomina en esta sección como cultivo con agitación de 0 rpm.

En la Figura 10 se presentan los perfiles de biomasa (D.O.560), glucosa, HA y pH durante el cultivo agitado-aireado con el nivel de 400 rpm. La bacteria creció rápidamente, presentando una fase de crecimiento exponencial de 8 h, y posteriormente una fase de crecimiento estacionario corta (de las 8 a las 12 h); finalmente, de las 12 a las 48 h, la bacteria entró en una fase de muerte. La producción de HA ocurrió durante la fase exponencial y dejó de producirse a partir de la fase de crecimiento estacionario. La producción de HA fue de 0.54 g/L, que fue mayor a la del correspondiente cultivo sumergido estático.

Al igual que en el cultivo sumergido estático, el consumo de glucosa estuvo acompañado por un descenso en el pH del medio, lo cual podría deberse a la producción de ácidos orgánicos, como ácido láctico y ácido acético, ya que la bacteria presenta un metabolismo fermentativo mixto en cultivo aireado (Pires y Santana, 2010).

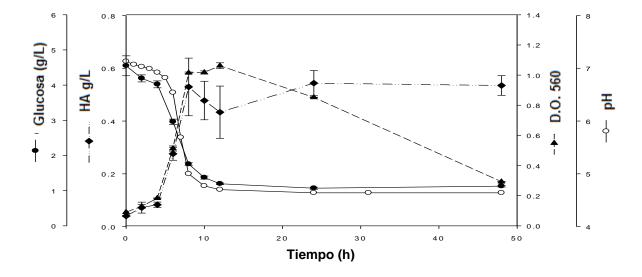


Figura 10. Cultivo sumergido de S. equi subsp. zooepidemicus con una agitación de 400 rpm y 1 vvm de aireación. Glucosa (♠), pH (⋄), D.O.₅₆₀ (♠) y HA (♠).

7.4.2.1 Consumo de glucosa

La glucosa fue consumida durante las primeras 10-12 h de cultivo y luego su concentración permaneció constante (p< 0.0001, Anexo 11.9.5). En la figura 11 se observa el perfil de glucosa a lo largo de cada cultivo evaluando diferentes niveles de agitación.

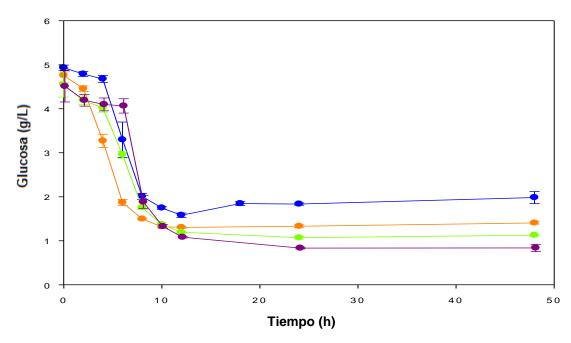


Figura 11. Concentración de glucosa durante el cultivo sumergido agitado de S. equi subsp. zooepidemicus. 0 rpm (•), 200 rpm (•), 400 rpm (•), 600 rpm (•).

En comparación con el cultivo estático, la glucosa fue consumida más rápidamente en el cultivo agitado a 200 rpm, mientras que se presentó un retraso en el consumo de sustrato con el nivel más alto de agitación. Esto podría atribuirse a que la agitación suave mejoró la transferencia de masa y permitió que la glucosa fuera rápidamente asimilada por la bacteria, mientras que a mayores niveles de agitación, las células necesitaron adaptarse a las condiciones de alto estrés de cizalla, por lo que les tomó más tiempo asimilar la fuente de carbono. Un efecto similar se observó en el trabajo de Huang *et al.* (2006), quien reportó que al

aumentar la agitación de cultivo de 200 a 400 rpm, *S. equi* subsp. *zooepidemicus* tardaba más tiempo en crecer.

En la tabla 6 se presenta el consumo de glucosa como resultado del nivel de agitación. Este consumo fue mayor en los cultivos agitados-aireados, en comparación con el cultivo estático (p= 0.0023, Anexo 11.9.6).

Tabla 6. Consumo de glucosa respecto al nivel de agitación en el cultivo sumergido *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

Agitación	Consumo de		
(rpm)	glucosa (g/L)*		
0	2.92 ± 0.04^{a}		
200	3.21 ± 0.01 ^b		
400	3.19 ± 0.02^{b}		
600	3.37 ± 0.07^{b}		

^{*}Consumo de glucosa a las 48 h de cultivo

7.4.2.2 Perfil de pH

Se produjo un descenso de pH en el medio conforme fue consumida la fuente de glucosa (Figura 7.10).

Después de las 10-12 h que ya no hubo consumo de sustrato, el pH permaneció constante. La disminución de pH en el medio de cultivo se debe a que *S. equi* subsp. *zooepidemicus* presenta un metabolismo fermentativo tanto en condiciones anaerobias como aerobias, porque es un microorganismo anaerobio aerotolerante, el cual presenta un ciclo de Krebs incompleto y es incapaz de realizar la fosforilación oxidativa (Johns *et al.*, 1994; Fong Chong *et al.*, 2005; Huang *et al.*,

^{**}Las letras denotan grupos significativamente diferentes (ANOVA y prueba de Tukey-Kramer, α = 0.05)

2006). Sin embargo, se ha reportado que el perfil de ácidos orgánicos producidos en ambas condiciones es diferente, ya que en condiciones anaerobias la bacteria presenta un metabolismo homoláctico fermentativo, mientras que en condiciones aerobias presenta un metabolismo fermentativo mixto, con producción de ácidos láctico, acético y fórmico, así como etanol (Pires y Santana, 2010).

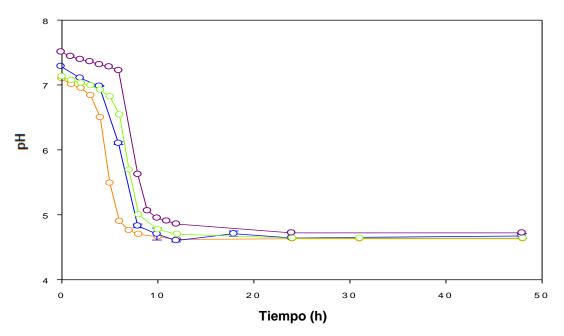


Figura 12. Cambio de pH durante el cultivo sumergido agitado de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. 0 rpm (\circ), 200 rpm (\circ), 400 rpm (\circ), 600 rpm (\circ).

7.4.2.3 Proteína soluble

En la Figura 13, se observa que la concentración de proteína soluble no cambió durante el cultivo (p= 0.1583, p= 0.0626, p= 0.1143 y p= 0.1514; Anexo 11.9.7), por lo que la bacteria no estuvo limitada por la fuente de nitrógeno.

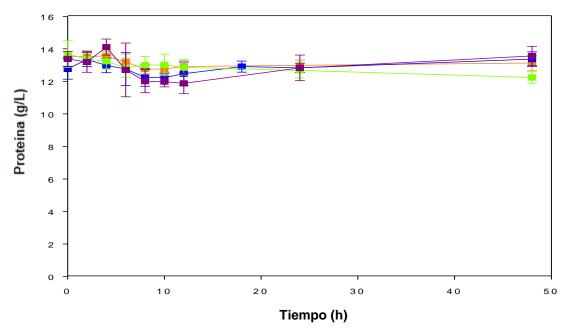


Figura 13. Concentración de proteína soluble determinada durante el cultivo sumergido agitado de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. 0 rpm (■), 200 rpm (■), 400 rpm (■), 600 rpm (■).

7.4.2.4 Crecimiento microbiano

En la Figura 14, se aprecia que los cultivos presentaron una fase exponencial corta durante las primeras 8 h, misma que fue seguida por una fase de crecimiento estacionario hasta las 48 h (en el cultivo estático); sin embargo, en los cultivos con agitación la fase estacionaria se redujo (de las 8 a las 12 h), y fue seguida de una fase de muerte, la cual fue más pronunciada al aumentar el nivel de agitación.

En la tabla 7 se presentan los parámetros cinéticos estimados para el cultivo sumergido de *S.equi* subsp. *zooepidemicus* como resultado de la variación en el nivel de agitación. La bacteria creció más en el sistema estático que en los cultivos agitados (los cuales tuvieron una producción de biomasa máxima similar). Sin embargo, demasiada agitación (400 y 600 rpm) resultó perjudicial, pues en estos cultivos la bacteria presentó una fase de muerte celular, posiblemente por un daño causado por el alto estrés de cizalla. No es la primera vez que esto ocurre, pues

algunos autores reportan una caída en la concentración de biomasa a partir de las 8 -10 h de cultivo de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*, cuando la agitación fue de 600 rpm (Armstrong y Johns, 1997; Johns *et al.*, 1994).

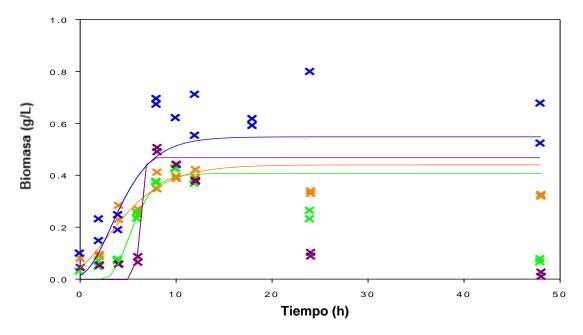


Figura 14. Biomasa producida durante el cultivo sumergido agitado de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. 0 rpm (x), 200 rpm (x), 400 rpm (x), 600 rpm (x).

Tabla 7. Parámetros cinéticos estimados para el crecimiento de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* en cultivo sumergido respecto al nivel de agitación

Agitación	Α	μ	R ²
(rpm)	(g _{Biomasa} /L)	(h ⁻¹)	
0	0.66	0.40	0.84
200	0.44	0.29	0.92
400 0.41		0.68	0.91
600	0.47	3.43	0.95

7.4.2.5 Producción de HA

El perfil de HA durante los cultivos del sistema agitado se muestra en la Figura 15. Como se puede apreciar, la producción de HA incrementó con la agitación del medio.

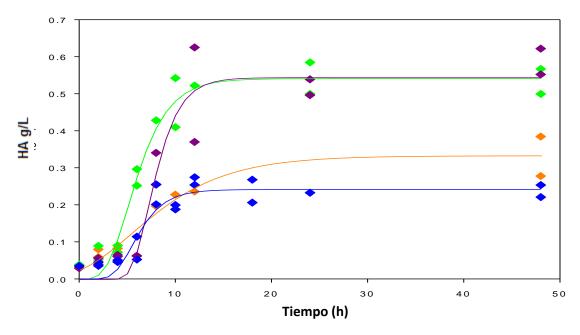


Figura 15. Producción de ácido hialurónico en cultivo sumergido agitado de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*. 0 rpm (*), 200 rpm (*), 400 rpm (*), 600 rpm (*).

En la tabla 8, se presenta la producción global de HA, el rendimiento de producto a partir del sustrato (Y_{HA/S}) y la productividad volumétrica de HA (P_{HA}), obtenidos como resultado de la variación de la agitación en el cultivo sumergido de la bacteria.

Tabla 8. Parámetros cinéticos estimados para la producción de HA por cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* respecto al nivel de agitación.

Agitación	Α	μ	R ²	Yна/s	Рна
(rpm)	(gha/L)	(h ⁻¹)		(gHA/ gglucosa)	(gна/L [.] h)
0	0.24	0.54	0.87	0.069 ± 0.006^{a}	0.006 ± 0.0005^{a}
200	0.33	0.18	0.93	0.093 ± 0.024^{a}	$0.007 \pm 0.002^{a,b}$
400	0.54	0.44	0.95	0.156 ± 0.014 ^b	$0.011 \pm 0.001^{b,c}$
600	0.55	0.57	0.93	0.165 ± 0.011 ^b	0.012 ± 0.001°

**Las letras denotan grupos significativamente diferentes (ANOVA y prueba de Tukey-Kramer, α= 0.05)

El rendimiento de HA (YHA/S) obtenido cuando la agitación fue de 200 rpm es similar al reportado por Pires y Santana (2010), que fue de 0.06 gHA/gglucosa, en cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*, con agitación de 250 rpm.

La agitación del medio no solo mejoró la producción de HA, sino también el rendimiento de producto a partir de sustrato y la productividad volumétrica de este biopolímero (p=0.0078 y p=0.0094; Anexo 11.8.8). Los mejores resultados se obtuvieron con los niveles más altos de agitación (400 y 600 rpm) en los cuales se obtuvo una producción de biopolímero 2.25 y 2.3 veces mayor, respectivamente, en relación con el cultivo estático. El aumento en la producción de HA con los niveles de mayor agitación podría deberse a varios factores. Por un lado, la agitación-aireación se tradujo en un incremento en el consumo de glucosa (tabla 6), que fue utilizada para la síntesis del biopolímero. Por otro lado, se ha reportado que el oxígeno presenta un efecto estimulante en la biosíntesis del HA, requiriéndose oxígeno disuelto en al menos 5% de saturación para mostrar dicho efecto (Huang *et al.*, 2006). Esto ya había sido observado por Cleary y Larkin (1979), quienes sugieren que la cápsula de HA en *Streptococcus* funge un rol protector ante el oxígeno, que limita la difusión del este gas al interior de la célula.

7.5 CARACTERIZACIÓN DEL ÁCIDO HIALURÓNICO

En esta sección se presentan los resultados obtenidos por espectroscopía de FTIR, ¹H-NMR y SEC para las muestras de HA obtenidas en el presente trabajo.

7.5.1 Caracterización de HA por espectroscopía de infrarrojo FTIR

A continuación, en la Figura 16, se presentan los espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en este trabajo, bajo diferentes condiciones experimentales, así como el espectro de FTIR del HA comercial.

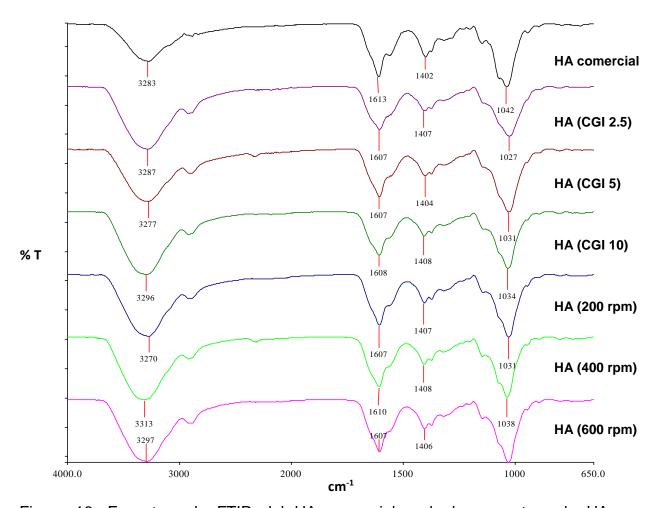


Figura 16. Espectros de FTIR del HA comercial y de las muestras de HA producidas por el cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* bajo las diferentes condiciones experimentales empleadas en este trabajo.

Como puede observarse, el HA obtenido en los diversos cultivos presentó las mismas bandas características del HA. El espectro del HA comercial presentó cuatro bandas características: una a 3283 cm⁻¹, que es típica del estiramiento del enlace O-H; otra que se encuentra a 1613 cm⁻¹, que indica la flexión del enlace N-H del grupo amida; una a 1402 cm⁻¹ que representa el estiramiento del enlace C-O del grupo carbonilo de la amida; y finalmente, una banda a 1042 cm⁻¹ que corresponde al estiramiento de los enlaces C-O-C presentes en la molécula (Jagadeeswara Reddy y Karunakaran, 2013). Los espectros de FTIR correspondientes a las muestras de HA obtenidas en cada cultivo a través del tiempo se encuentran en el Anexo 11.7.

7.5.2 Caracterización del HA por resonancia magnética nuclear de protón ¹H-NMR

Se analizó el espectro de ¹H-NMR de HA comercial con la finalidad de hacer una comparación entre este y el biopolímero obtenido en el presente trabajo.

El espectro de ¹H-NMR del HA comercial (Figura 17) presentó un desplazamiento químico a 1.18 y otro a 2.02 ppm que indican la presencia del grupo metileno y el grupo acetamido de la *N*-acetilglucosamina, respectivamente. Además, el masivo de 3.2 a 4 ppm indica la presencia de grupos hidroxilo en los diferentes entornos de la molécula (Pretsch *et al.*, 2009). El pico a 4.8 ppm corresponde al agua (Gottlieb *et al.*, 1997)

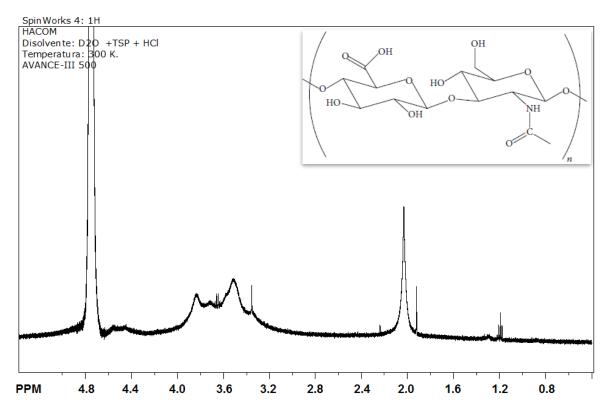


Figura 17. Espectro ¹H-NMR del HA comercial.

El espectro ¹H-NMR del biopolímero producido en el cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con agitación de 400 rpm (Figura 18) es similar al espectro del HA comercial (Figura 17). Ambos presentaron un pico a 2.02 ppm, que corresponde al grupo acetamido del residuo de la *N*-acetilglucosamina y un masivo de 3.2 a 4 ppm que corresponde a los grupos hidroxilo presentes en la molécula (Park *et al.*, 2010).

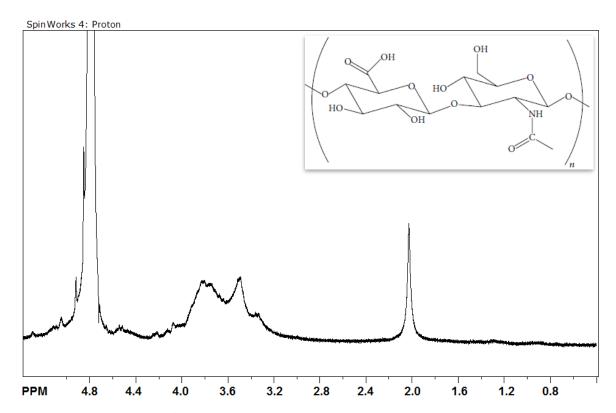


Figura 18. Espectro ¹H-NMR del HA producido en cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*.

7.5.3 Determinación del peso molecular del ácido hialurónico

Según Liu *et al.* (2011) el peso molecular es un parámetro de calidad importante para un producto de HA comercial, ya que define sus posibles aplicaciones, porque determina las propiedades reológicas del mismo y afecta la respuesta fisiológica en el organismo. El HA de alto peso molecular (superior a 10 kDa), presenta una buena viscoelasticidad, retención de humedad y mucoadhesión, las cuales son características deseables en las áreas de oftalmología, ortopedia, cicatrización de heridas y cosméticos. Mientras que, existen reportes de que el HA de bajo peso molecular (2-3.5 kDa), así como los oligosacáridos de HA, promueven la angiogénesis, inducen la expresión de mediadores de la inflamación e inhiben el crecimiento de tumores. Puesto que las funciones del HA varían con su peso molecular, es necesario que este presente un una baja polidispersidad para ser empleado en una determinada aplicación biomédica.

Se analizó el peso molecular del HA comercial con la finalidad de hacer una comparación entre este y el biopolímero obtenido en este trabajo.

A continuación, se presenta un cromatograma de SEC correspondiente al reactivo comercial de HA (Figura 19). El HA presentó un tiempo de retención de 19.80 – 29.32 min, un peso molecular (M_w) de 2.216 x 10⁶ Da y un índice de polidispersidad de 1.083.

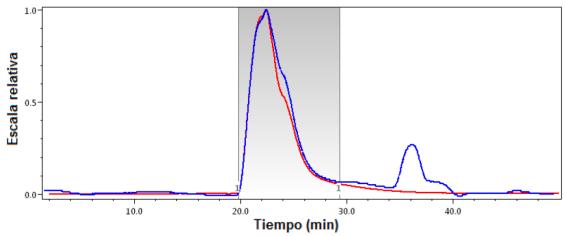


Figura 19. Cromatograma de SEC correspondiente a un reactivo comercial de HA. (-) Detector de dispersión de luz, (-) Detector de índice de refracción.

En la Figura 20 se presenta un cromatograma del HA producido en cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con una agitación de 400 rpm. El pico correspondiente al HA presentó un tiempo de retención de 19.75 – 27.01 min, un peso molecular (M_w) de 1.892 x 10⁶ Da y un índice de polidispersidad de 1.016. A pesar de que el HA producido en este trabajo presentó un menor peso molecular que el reactivo de HA comercial; esto se vio compensado con un menor índice de polidispersidad.

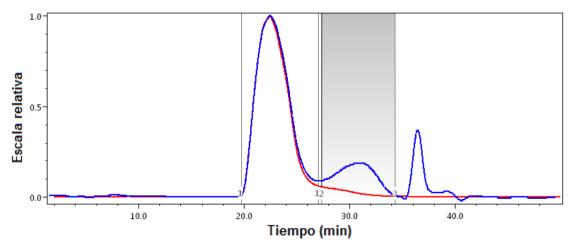


Figura 20. Cromatograma de SEC del HA producido por cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con una agitación de 400 rpm. (-) Detector de dispersión de luz, (-) Detector de índice de refracción.

Con la finalidad de caracterizar el tamaño del biopolímero a lo largo de la fermentación se determinó el peso molecular de este de cada muestra obtenida a través del tiempo del cultivo con agitación de 400 rpm.

Los pesos moleculares (M_w) de las muestras de HA obtenidas en el cultivo sumergido a 400 rpm se encontraron en el intervalo de 8.95 x 10⁵ - 1.89 x 10⁶ Da (Anexo 11.8), por lo que pueden considerarse como HA de alto peso molecular (Boeriu *et al.*, 2013), esto coincide con lo publicado por otros autores, quienes reportaron pesos moleculares de 5.38 x 10⁵ Da hasta 3.2 x 10⁶ Da, para el HA producido bajo diferentes condiciones experimentales (Patil *et al.*, 2010; Vázquez *et al.*, 2010; Armstrong y Johns, 1997). Asimismo, estas muestras presentaron índices de polidispersidad de 1.02 a 1.21, los cuales son menores a los reportados por Armstrong y Johns (1997), que obtuvieron índices de polidispersidad de 1.8 a 2.5.

En la figura 7.17, se observa que hubo un incremento en el peso molecular de las 6 a las 8 h, posteriormente, este permaneció constante de las 8 a las 24 h; sin embargo, de las 24 a las 48 h se registró una reducción del peso molecular de 1.53 x 10⁶ a 9.25 x 10⁵. Por otro lado, el índice de polidispersidad disminuyó de las

6 a las 8 h (mientras era sintetizado el HA), permanenciendo constante de las 8 a las 12 h y seguido por un descenso de las 12 a las 48 h. Esta disminución del peso molecular y aumento en el índice de polidispersidad al final de la fermentación podría justificarse por la acción de la enzima hialuronidasa, que cataliza la hidrólisis de los enlaces glicosídicos del HA (Vázquez *et al.*, 2010).

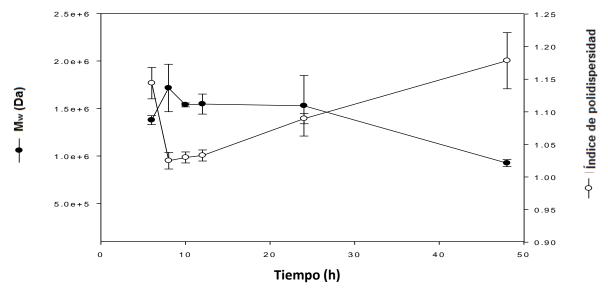


Figura 21. Perfil del peso molecular (●) y del índice de polidispersidad (○) del HA obtenido en el cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*, con CGI de 5 g/L, agitación de 400 rpm y aireación de 1 vvm.

VIII CONCLUSIONES

La CGI afectó la producción de biomasa, la cual incrementó conforme aumentó la concentración inicial de sustrato. Por otro lado, se incrementó la producción de HA al aumentar el nivel de CGI de 2.5 a 5 g/L, pero la producción de este biopolímero fue la misma para los niveles más altos de concentración de sustrato.

La agitación y aireación del medio de cultivo mejoraron el consumo de glucosa, así como la producción de biomasa y del biopolímero. Los rendimientos más altos de HA se obtuvieron con los niveles de agitación de 400 y 600 rpm. El rendimiento de HA (Y_{HA/S}) fue 2.26 veces mayor al aumentar la agitación de 0 a 400 rpm.

Los espectros de FTIR del biopolímero extraído y purificado en cada cultivo presentaron las bandas características del HA. Por otro lado, el espectro de ¹H-NMR del biopolímero producido en el cultivo sumergido con agitación de 400 rpm fue similar al del HA comercial.

Las muestras de HA obtenidas en el cultivo sumergido con agitación de 400 rpm presentaron un alto peso molecular (8.95 x 10⁵ - 1.89 x 10⁶ Da), además de un bajo índice de polidispersidad (1.04-1.21), por lo que podrían emplearse en aplicaciones en las áreas de oftalmología, ortopedia, cicatrización de heridas y cosméticos. Por otro lado, se presentó una disminución con del peso molecular del biopolímero al prolongar el cultivo de 24 a 48 h, por lo que se recomienda acortar la duración de los cultivos.

IX SUGERENCIAS PARA TRABAJOS FUTUROS

- Estudiar el efecto de la agitación en el peso molecular del biopolímero obtenido.
- Agregar un antiespumante en el medio para realizar el cultivo sumergido agitado.
- Fijar el pH del medio de cultivo.
- Explorar el uso de desechos agroindustriales en la formulación del medio de cultivo, a fin de sustituir las fuentes de carbono y nitrógeno comerciales.
- Desarrollo de nuevos métodos de purificación del HA.

X REFERENCIAS

Armstrong DC y Johns MR. 1997. Culture conditions affect the molecular weight properties of Hyaluronic acid produced by *Streptococcus zooepidemicus*. Applied and Environmental Microbiology 63(7):2759-2764.

Benedini LJ. 2012. Influência de peptonas vegetais no cultivo de *Streptococcus zooepidemicus* para a produção de ácido hialurônico. (Tesis de Maestría en Procesos Biotecnológicos) Facultad de Ingeniería Química, Universidade Estadual de Campinas. Campinas, Brasil.

Boeriu CG, Springer J, Kooy FK, Van den Broek LAM, Eggink G. 2013. Production Methods of Hyaluronan. International Journal of Carbohydrate Chemistry.

Chen YH y Wang Q. 2009. Establishment of CTAB Turbidimetric method to determine hyaluronic acid content in fermentation broth. Carbohydrate Polymers. 78:178-181.

Cleary PP y Larkin A. 1979. Hyaluronic Acid Capsule: Strategy for Oxygen Resistance in Group A *Streptococci*. Journal of Bacteriology. 140(3): 1090-1097.

DeAngelis PL, Jing W, Drake RR y Achyuthan AM. 1998. Identification and Molecular Cloning of a Unique Hyaluronan Synthase from *Pausteurella multocida*. The Journal of Biological Chemistry. 273:8454-8458.

Di Ferrante N. 1956. Turbidimetric measurement of acyd mucopoly-saccharides and hyaluronidase activity. The Journal of Biological Chemistry. 220:303-306.

Don MM y Shoparwe NF. 2009. Kinetics of Hyaluronic acid production by *Streptococcus zooepidemicus* considering the effect of glucose. Biochemical Engineering Journal. 49:95-103.

Duan XJ, Niu HX, Tan WS y Zhang X. 2008. Mechanism Analysis of Effect of Oxygen on Molecular Weight of Hyaluronic Acid Produced by *Streptococcus zooepidemicus*. Journal of Microbiology and Biotechnology. 19(3):299-306.

Fong Chong B, Blank LM, Mclaughlin R, Nielsen LK. 2005. Microbial hyaluronic acid production. Applied Microbiology and Biotechnology. 66:341-351.

Gobetti M y Calasso M. 2014. *Streptococcus*. En Batt CA y Tortorello ML (Eds.) Encyclopedia of Food Microbiology. Vol.3 (pp. 535). Academic Press.

Gottlieb HE, Koflyar V y Nudelman A. 1997. NMR Chemical Shifts of Common Laboratory Solvents as Trace Impurities. Journal of Organic Chemistry. 62:7512-7515.

Hardie JM y Whiley RA. 1997. Classification and overview of the genera *Streptococcus* and *Enterococcus*. Journal of Applied Microbiology Symposium Supplement. 83:1S-11S.

Huang WC, Cen SJ, Chen TL. 2006. The role of dissolved oxygen and function of agitation in hyaluronic acid fermentation. Biochemical Engineering Journal. 32:239-243.

Im JH, Song JM, Kang JH, Kang DJ. 2009. Optimization of medium components for high-molecular-weight hyaluronic acid production by *Streptococcus* sp. ID9102 via a statistical approach. Journal of Industrial Microbiology and Biotechnology. 36:1337-1344.

Izawa N, Hanamizu T, Sone T, Chiba K. 2010. Effects of fermentation conditions and soybean peptide supplementation on hyaluronic acid production by *Streptococcus thermophilus* strain YIT 2084 in milk. Journal of Bioscience and Bioengineering. 109: 356-360.

Jagadeeswara Reddy K, Karunakaran KT. 2013. Purification and characterization of hyaluronic acid produced by *Streptococcus zooepidemicus* strain 3523-7. Journal of BioScience and Biotechnology. 2(3):173-179.

Jagannath S, Ramachandran KB. 2010. Influence of competing metabolic processes on the molecular weight of hyaluronic acid synthesized by *Streptococcus zooepidemicus*. Biochemical Engineering Journal. 48:148-158.

Johns MR, Goh LT, Oeggerli A. 1994. Effecto of pH, agitation and aeration on hyaluronic acid production by *Streptococcus zooepidemicus*. Biotechnology Letters. 16(5):507-512.

Kogan G, Šoltés L, Stern R, Gemeiner P. 2007. Hyaluronic acid: a natural biopolymer with a broad range of biomedical and industrial applications. Biotechnology Letters. 29:17-25.

Lee Ching L, Chee Yuan G, Min Tze Liong. 2013. Dermal bioactives from lactobacilli and bifidobacteria. Annals of Microbiology. 63:1047-1055.

Liu L, Liu Y, Li J, Du G, Chen J. 2011. Microbial production of hyaluronic acid: current state, challenges, and perspectives. Microbial Cell Factories. 10:99.

Liu L, Wang M, Sun J, Du Guocheng, Chen J. 2008. Application of a novel cavern volume controlled culture model to microbial hyaluronic acid production by batch culture of *Streptococcus zooepidemicus*. Biochemical Engineering Journal. 48:141-147.

Marcellin E, Gruber CW, Archer C, Craik DJ y Nielsen LK. 2009. Proteome analysis of the hyaluronic acid-producing bacterium, *Streptococcus zooepidemicus*. Proteome Science. 7:13.

Miller GL. 1959. Use of dinitrosalicilic acid reagent for determination of reducing sugars. Anal. Chem. 426-428.

Park W, Kim K, Bae B, Kim Y, Na K. 2010. Cancer cell specific targeting of nanogels from acetylated hyaluronic acid with low molecular weight. European Journal of Pharmaceutical Sciences. 40:367-375.

Patil KP, Kamalja KK y Chaudhari BL. 2011. Optimization of medium components for hyaluronic acid production by *Streptococcus zooepidemicus* MTCC 4523 using a statistical approach. Carbohydrate Polymers. 86:1573-1577.

Patil KP, Patil DK, Chaudhari BL y Chincholkar SB. 2010. Production of hyaluronic acid from *Streptococcus zooepidemicus* MTCC 3523 and its wound healing activity. Journal of Bioscience and Bioengineering. 111(3):286-288.

Peterson GL. 1977. A simplification of the protein assay method of Lowry et al which is more generally applicable. Anal. Biochem. 83:346-356.

Pires AMB, Macedo AC, Eguchi SY, Santana MHA. 2010. Microbial production of hyaluronic acid from agricultural resource derivatives. Bioresource Technology. 101: 6506-6509.

Pires AMB, Santana MHA. 2010. Metabolic Effects of the Initial Glucose Concentration on Microbial Production of Hyaluronic Acid. Applied Biochemistry and Biotechnology.162:1751-1761.

Pretsch E, Bühlmann P, Badertscher M. 2009. Structure Determination of Organic Compounds 4ta ed. (pp. 423). Alemania: Springer.

Tamer TM. 2013. Hyaluronan and sinovial joint: function, distribution and healing. Interdiscip Toxicol. 6(3): 111-125.

Vázquez JA, Montemayor MI, Fraguas J y Murado MA. 2009. High production of hyaluronic and lactic acids by *Streptococcus zooepidemicus* in fed-batch culture using comercial and marine peptones from fishing by-products. Biochemical Engineering Journal. 44:125-130.

Vázquez JA, Montemayor MI, Fraguas J y Murado MA. 2010. Hyaluronic acid production by *Streptococcus zooepidemicus* in marine by-products media from mussel processing wastewaters and tuna peptone viscera. Microbial Cell Factories. 9:46.

Vázquez JA, Rodríguez Amado I, Montemayor MI, Fraguas J, Pilar González M, Anxo Murado M. 2013. Chondroitin Sulfate, Hyaluronic Acid and Chitin/Chitosan Production Using Marine Waste Sources: Characteristics, Applications and Eco-Friendly Processes: A Review. Marine Drugs. 11:747-774.

Zee-Wei L, Raha AR, Arbakariya A, Rosfarizan M. 2011. Medium formulation and impeller design on the biosynthesis of high molecular weight hyaluronic acid by *Streptococcus zooepidemicus* ATCC 39920. African Journal of Microbiology. 5(15):2114-2123.

Zhang J, Ding X, Yang L y Kong Z. 2006. A serum-free medium for colony growth and hyaluronic acid production by Streptococcus zooepidemicus NJUST01. Applied Microbial and Cell Physiology. 72:168-172.

Zwietering MH, Jongenburger I, Rombouts M, Riel KV. 1990. Modeling of the Bacterial Growth Curve. Applied and Environmental Microbiology. 56(6):1875-1881.

XI ANEXOS

11.1 Composición del caldo de infusión de cerebro y corazón

Componente	Concentración	
	(g/L de agua destilada)	

Infusión de cerebro	6.0
corazón	
Peptona de carne	6.0
Cloruro de sodio	5.0
Dextrosa	3.0
Peptona de gelatina	14.5
Fosfato de Potasio	2.5
disódico	

11.2. Composición del caldo de soya y tripticaseína

Componente	Concentración
	(g/L de agua destilada)

Peptona de caseína	17.0
Peptona de soya	3.0
Cloruro de sodio	5.0
Fosfato dipotásico	2.5
Dextrosa	2.5

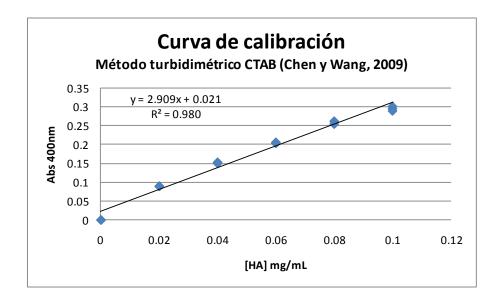
11.3 Cuantificación de ácido hialurónico por el método turbidimétrico CTAB (Método Turbidimétrico CTAB). Protocolo propuesto por Chen y Wang (2009)

Preparación del reactivo CTAB

Disolver 2.5 g de CTAB (Bromuro de hexadeciltrimetilamonio) en 100 mL de una solución 0.2 M de NaCl (en agua desionizada).

Curva de calibración

Se preparó una solución stock de 0.1 mg/mL de HA y a partir de ella se prepararon las soluciones patrón para la curva de calibración. Las concentraciones de HA empleadas en esta curva fueron: 0.02, 0.04, 0.06, 0.08 y 0.1 mg/mL.



En base a la curva de calibración, la concentración de HA presente en la muestra puede calcularse mediante la ecuación:

$$[HA] = \frac{Abs_{400} - 0.021}{2.909}$$

11.4 Cuantificación de ácido hialurónico por el método turbidimétrico CTM (Método Turbidimétrico CTAB). Protocolo propuesto por Di Ferrante (1956).

Preparación del reactivo CTAB

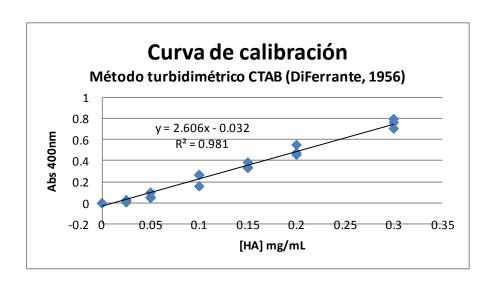
Disolver 2.5 g de CTAB en 100 mL de una solución de NaOH al 2% p/v.

Preparación del buffer de acetatos

Buffer de acetato de sodio/ácido acético al 0.2 M, pH 6, al cual se le agrega NaCl para dar una concentración de 0.15 M.

Curva de calibración

Solución stock de HA: 0.5 mg HA/mL, disuelto en buffer de acetatos. Soluciones estándar de HA: 0.025, 0.050, 0.100, 0.150, 0.200 y 0.300 HA/mL



En base a la curva de calibración anterior, la concentración de HA presente en la muestra puede calcularse mediante la ecuación:

$$[HA] = \frac{Abs_{400} + 0.032}{2.606}$$

11.5 Determinación de azúcares reductores por el método colorimétrico DNS (Miller, 1959)

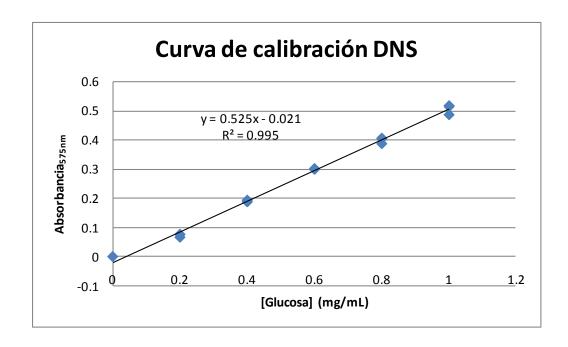
Preparación del reactivo DNS

Aforar los siguientes reactivos a 250 mL con agua destilada, en un frasco ámbar y guardar en oscuridad.

- 2.5 g DNS (Ácido 3,5-dinitrosalicílico)
- 2.5 g NaOH
- 0.125 g Sulfito de Sodio
- 0.5 g Fenol

Curva de calibración

Se realizó un stock de glucosa a una concentración de 1 mg/mL y a partir de ella se prepararon las soluciones estándar para la curva de calibración, a concentraciones de 0.2, 0.4, 0.6, 0.8 y 1 mg/mL.



En base a la anterior curva de calibración, la concentración de glucosa en la muestra puede determinarse mediante la siguiente ecuación:

$$[Glucosa] = \frac{Abs_{575} + 0.021}{0.525}$$

11. 6 Determinación de proteína soluble por el método colorimétrico Lowry-Peterson (Peterson, 1977)

Preparación de los reactivos

Solución A

Pesar los siguientes reactivos y aforar a 100 mL.

25 g Na₂CO₃ (Carbonato de sodio)

0.25 g CuSO₄ 5H₂O (Sulfato de cobre pentahidratado)

0.5 g KNaC₄H₄O₆ (Tartrato de sodio y potasio)

Solución B

Pesar 25 g de SDS (Dodecil sulfato de sodio) y aforar a 250 mL.

Solución C

Pesar 8 g de NaOH y aforar a 250 mL.

Reactivo A de Lowry

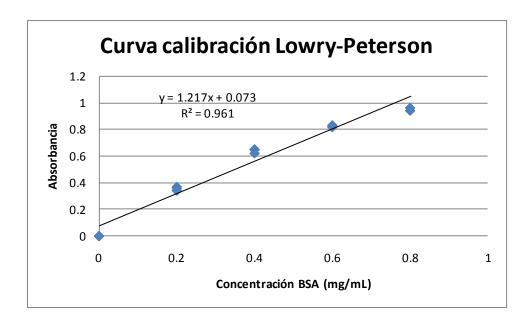
Mezclar las soluciones A, B y C, aforar a 1 L. Guardar en refrigeración y calentar a baño de agua tibia por 15-20 min justo antes de usar.

Reactivo B de Lowry

Preparar una solución 50 % v/v del reactivo Folin-Ciocalteau justo antes de usarse.

Curva de calibración

Se prepararon estándares de BSA a concentraciones de 0.2, 0.4, 0.6 y 0.8 mg/mL, a partir de una solución stock de 1mg BSA/mL.

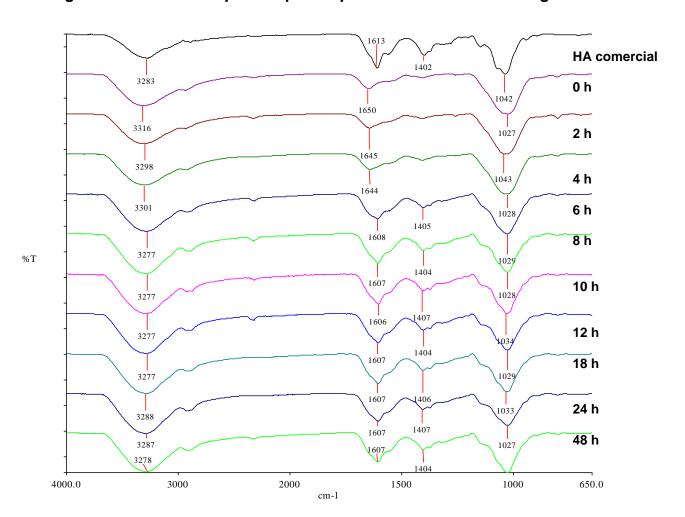


La concentración de proteína soluble en la muestra se determina mediante la siguiente ecuación:

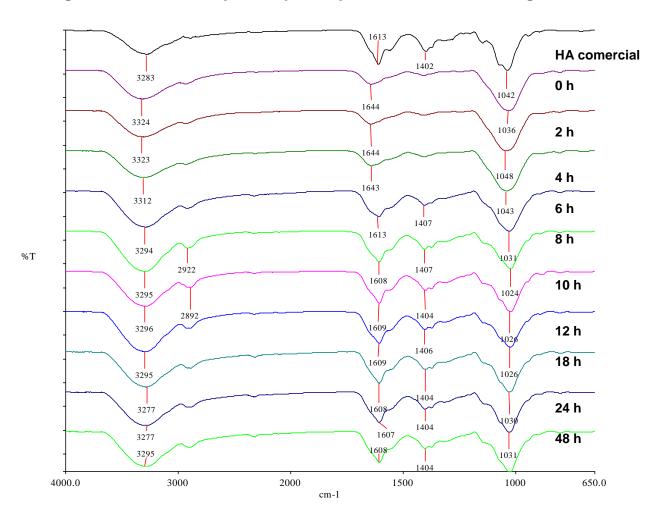
$$[Proteina\ soluble] = \frac{Abs_{750} - 0.073}{1.217}$$

11.7 Espectros de FTIR de las muestras de HA obtenidas en el cultivo de *S.* equi subsp. zooepidemicus.

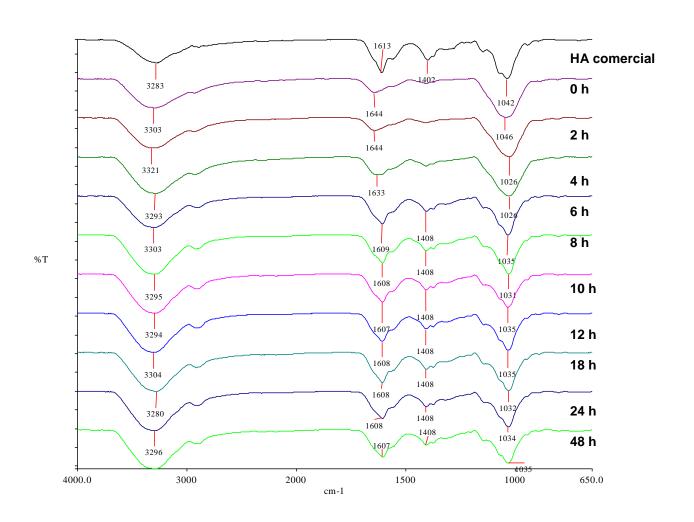
11.7.1 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con CGI de 2.5 g/L



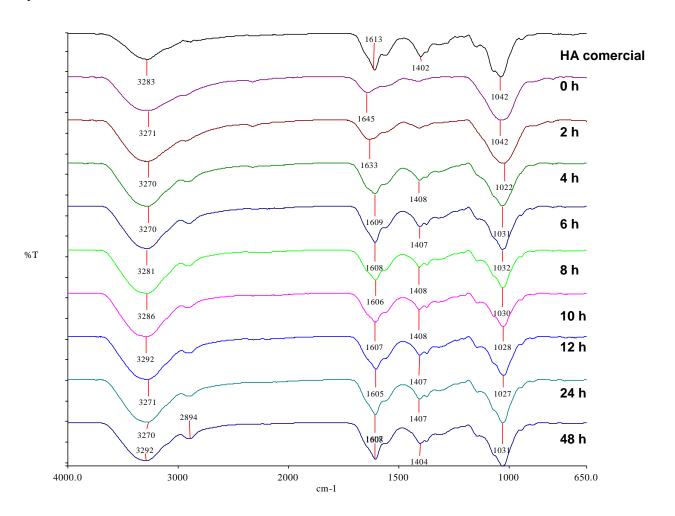
11.7.2 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con CGI de 5 g/L



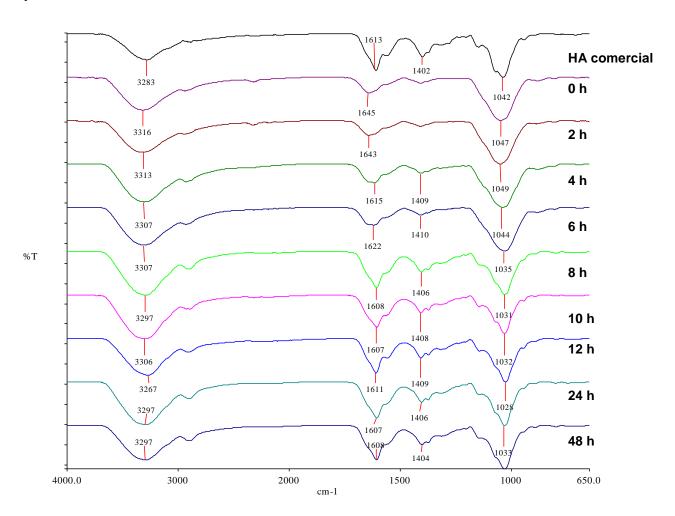
11.7.3 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con CGI de 10 g/L



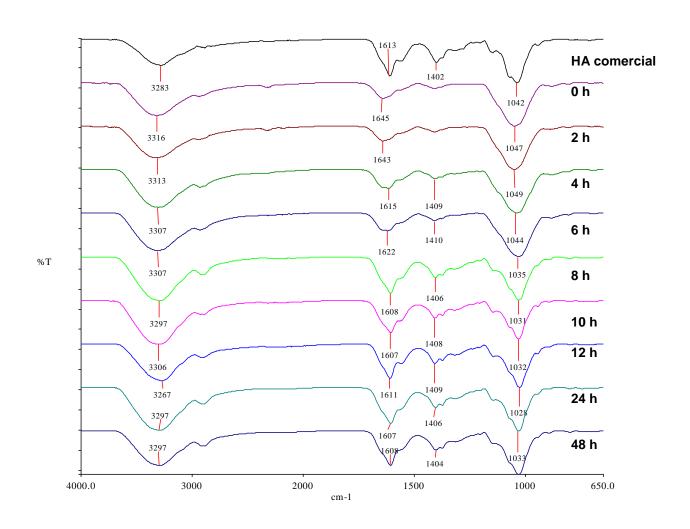
11.7.4 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con agitación de 200 rpm



11.7.5 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con agitación de 400 rpm

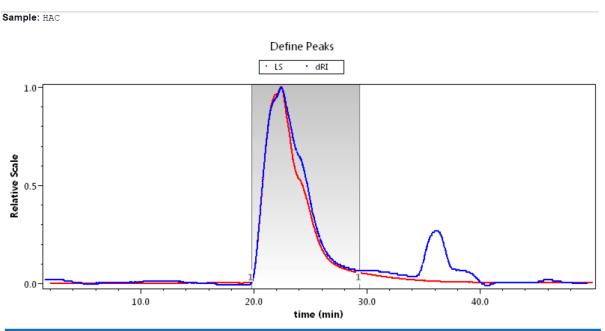


11.7.6 Espectros de FTIR de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus* con agitación de 600 rpm



11.8 Cromatogramas de SEC de las muestras de HA producidas en el cultivo sumergido agitado 400 rpm de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

11.8.1 Cromatograma de SEC del HA comercial



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 09:50:09 AM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 10:45:02 AM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

Peak Name Peak 1

Peak Limits (min) 19.801 - 29.318

 Light Scattering Model
 Zimm

 Fit Degree
 1

 dn/dc (mL/g)
 0.1500

 A2 (mol mL/g²)
 0.000

 UV Ext. Coef. (mL/(mg cm))
 0.000

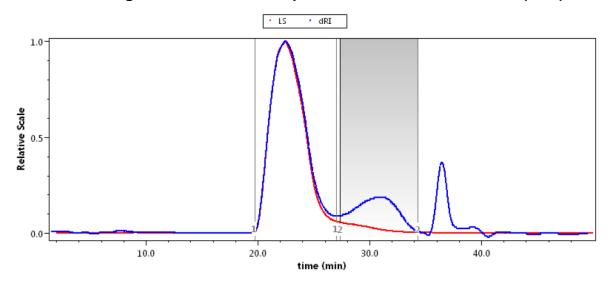
Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R⁴	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Results

Peak Results Peak 1 Masses Injected Mass (µg) 100.00 Calculated Mass (µg) 74.29 Mass Recovery (%) 74.3 Mass Fraction (%) 100.0 Molar mass moments (g/mol) 2.047×10⁶ (±4.185%) 1.837×10⁶ (±3.128%) Mn Мр Μv Mw 2.216×10⁶ (±5.409%) Polydispersity 1.083 (±6.839%) Mw/Mn rms radius moments (nm) 193.5 (±1.4%) Rn 204.7 (±1.5%) 227.5 (±1.6%) Rw Rz

11.8.2 Cromatograma de SEC del HA producido a las 8 h de cultivo (HA8)



Processing

Collection Time: Tuesday July 28, 2015 11:30:49 PM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 11:03:27 AM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

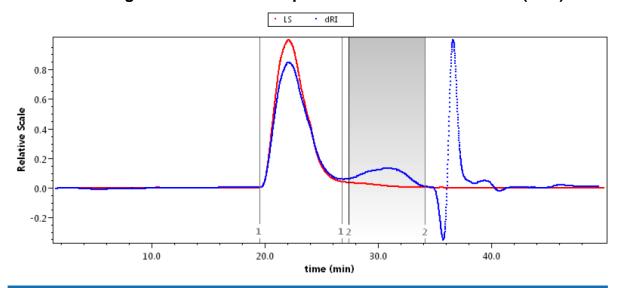
Peak Name	Peak 1	Peak 2
Peak Limits (min)	19.754 - 27.009	27.349 - 34.320
Light Scattering Model	Zimm	Zimm
Fit Degree	1	1
dn/dc (mL/g)	0.1500	0.1500
A2 (mol mL/g²)	0.000	0.000
UV Ext. Coef. (mL/(mg cm))	0.000	0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	73.63	17.47
Mass Recovery (%)	73.6	17.5
Mass Fraction (%)	80.8	19.2
Molar mass moments (g/r	nol)	
Mn	1.863×10 ⁶ (±5.906%)	4.521×10 ⁵ (±24.397%)
Мр	2.184×10 ⁶ (±7.941%)	3.003×10 ⁵ (±25.516%)
Mv	n/a	n/a
Mw	1.892×10 ⁶ (±5.988%)	6.991×10 ⁵ (±24.647%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.016 (±8.411%)	1.547 (±34.679%)
rms radius moments (nm))	
Rn	180.3 (±2.0%)	241.5 (±6.1%)
Rw	182.0 (±2.0%)	254.6 (±6.0%)
Rz	183.9 (±2.0%)	264.6 (±5.7%)

11.8.3 Cromatograma de SEC del HA producido a las 8 h de cultivo (HA9)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 12:27:07 AM Paris, Madrid (heure d'été)
Processing Time: Friday July 31, 2015 11:08:06 AM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

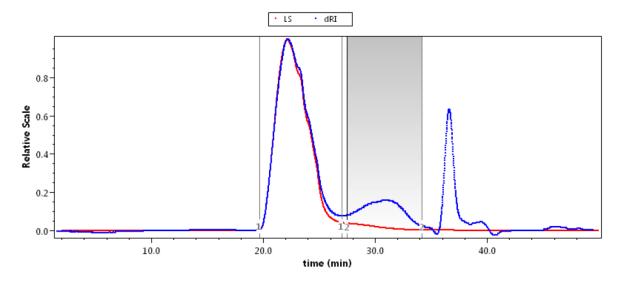
Peak Name Peak 1 Peak 2 19.550 - 26.837 27.407 - 34.124 Peak Limits (min) Light Scattering Model Zimm Zimm Fit Degree 1 1 0.1500 dn/dc (mL/g) 0.1500 A2 (mol mL/g2) 0.000 0.000 UV Ext. Coef. (mL/(mg cm)) 0.000 0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	62.33	13.68
Mass Recovery (%)	62.3	13.7
Mass Fraction (%)	82.0	18.0
Molar mass moments (g/n	nol)	
Mn	1.489×10 ⁶ (±3.359%)	1.514×10 ⁵ (±15.928%)
Mp	1.521×10 ⁶ (±2.208%)	9.397×10 ⁴ (±14.316%)
Mv		n/a
Mw	1.539×10 ⁶ (±2.960%)	2.330×10 ⁵ (±15.442%)
Polydispersity	,	,
Mw/Mn	1.034 (±4.477%)	1.538 (±22.184%)
rms radius moments (nm))	
Rn	158.9 (±1.4%)	152.4 (±6.6%)
Rw	161.5 (±1.2%)	153.6 (±6.5%)
Rz	164.7 (±1.1%)	156.5 (±6.4%)

11.8.4 Cromatograma de SEC del HA producido a las 10 h de cultivo (HA10)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 01:23:25 AM Paris, Madrid (heure d'été)
Processing Time: Friday July 31, 2015 12:22:43 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

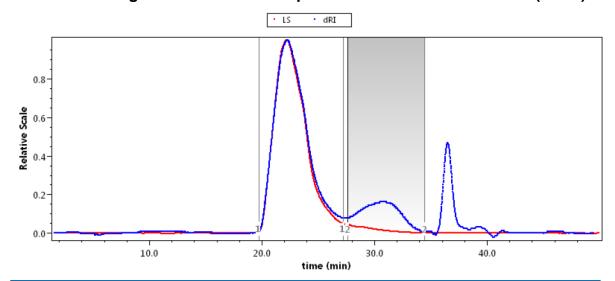
Peak Name Peak 1 Peak 2 Peak Limits (min) 19.636 - 27.002 27.512 - 34.142 **Light Scattering Model** Zimm Zimm Fit Degree dn/dc (mL/g) 0.1500 0.1500 A2 (mol mL/g²) 0.000 UV Ext. Coef. (mL/(mg cm)) 0.000 0.000 0.000 0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	78.05	16.82
Mass Recovery (%)	78.0	16.8
Mass Fraction (%)	82.3	17.7
Molar mass moments (g/n	nol)	
Mn	1.471×10 ⁶ (±4.290%)	1.352×10 ⁵ (±14.971%)
Мр	1.533×10 ⁶ (±3.820%)	1.144×10 ⁵ (±16.434%)
Mv	n/a	n/a
Mw	1.523×10 ⁶ (±3.898%)	2.164×10 ⁵ (±14.669%)
Polydispersity		,
Mw/Mn	1.036 (±5.796%)	1.601 (±20.960%)
rms radius moments (nm))	
Rn	157.1 (±1.6%)	118.6 (±7.6%)
Rw	159.8 (±1.5%)	125.6 (±6.8%)
Rz	163.2 (±1.4%)	146.6 (±5.9%)

11.8.5 Cromatograma de SEC del HA producido a las 10 h de cultivo (HA11)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 02:19:43 AM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 01:43:40 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

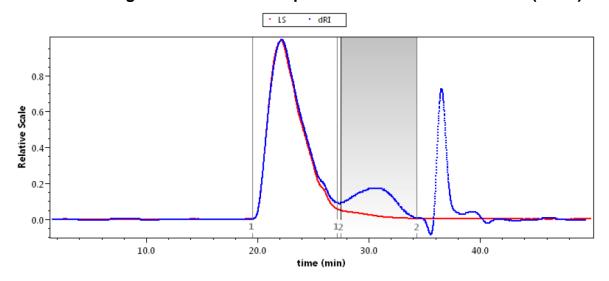
Peak Name	Peak 1	Peak 2
Peak Limits (min)	19.749 - 27.229	27.625 - 34.425
Light Scattering Model	Zimm	Zimm
Fit Degree	1	1
dn/dc (mL/g)	0.1500	0.1500
A2 (mol mL/g²)	0.000	0.000
UV Ext. Coef. (mL/(mg cm))	0.000	0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (μg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	68.42	14.31
Mass Recovery (%)	68.4	14.3
Mass Fraction (%)	82.7	17.3
Molar mass moments (g/r	nol)	
Mn		1.340×10 ⁵ (±12.445%)
Мр	1.478×10 ⁶ (±2.136%)	9.438×10 ⁴ (±12.855%)
Mv	n/a	n/a
Mw	1.552×10 ⁶ (±2.972%)	3.415×10 ⁵ (±20.945%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.024 (±4.399%)	2.548 (±24.363%)
rms radius moments (nm)		
Rn	158.9 (±1.3%)	130.8 (±6.0%)
Rw	160.9 (±1.2%)	154.7 (±6.1%)
Rz	163.4 (±1.1%)	260.6 (±5.4%)

11.8.6 Cromatograma de SEC del HA producido a las 12 h de cultivo (HA12)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 03:16:02 AM Paris, Madrid (heure d'été)
Processing Time: Friday July 31, 2015 01:46:13 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

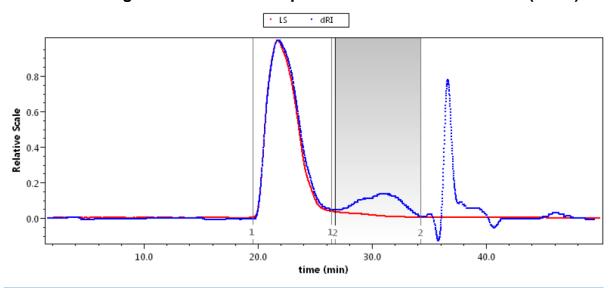
Peak Name Peak 1 Peak 2 Peak Limits (min) 19.523 - 27.172 27.512 - 34.312 Light Scattering Model Zimm Zimm Fit Degree dn/dc (mL/g) 0.1500 0.1500 A2 (mol mL/g²) 0.000 0.000 UV Ext. Coef. (mL/(mg cm)) 0.000 0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	77.58	16.75
Mass Recovery (%)	77.6	16.7
Mass Fraction (%)	82.2	17.8
Molar mass moments (g/n	nol)	
Mn	1.434×10 ⁶ (±3.839%)	1.286×10 ⁵ (±15.018%)
Мр	1.519×10 ⁶ (±3.868%)	1.396×10 ⁵ (±15.523%)
Mv	n/a	n/a
Mw	1.472×10 ⁶ (±3.485%)	1.918×10 ⁵ (±12.723%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.027 (±5.185%)	1.491 (±19.682%)
rms radius moments (nm)		
Rn	153.3 (±1.5%)	96.1 (±10.0%)
Rw	155.4 (±1.4%)	102.0 (±8.4%)
Rz	158.0 (±1.3%)	110.2 (±6.8%)

11.8.7 Cromatograma de SEC del HA producido a las 12 h de cultivo (HA13)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 04:12:20 AM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 01:48:08 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

Peak Name	Peak 1	Peak 2
Peak Limits (min)	19.523 - 26.436	26.775 - 34.255
Light Scattering Model	Zimm	Zimm
Fit Degree	1	1
dn/dc (mL/g)	0.1500	0.1500
A2 (mol mL/g²)	0.000	0.000
UV Ext. Coef. (mL/(mg cm))	0.000	0.000

Results Fitting Procedure:

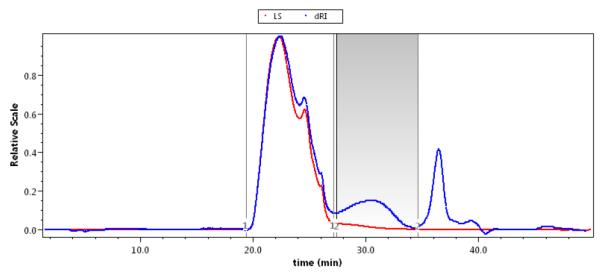
Data	Fit Model	Degree	R⁴	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Results

Peak Results

	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	41.30	8.31
Mass Recovery (%)	41.3	8.3
Mass Fraction (%)	83.2	16.8
Molar mass moments (g/r	nol)	
Mn	1.560×10 ⁶ (±3.489%)	1.513×10 ⁵ (±15.491%)
Мр	1.632×10 ⁶ (±2.052%)	9.014×10 ⁴ (±16.743%)
M∨	n/a	n/a
Mw	1.621×10 ⁶ (±2.969%)	2.417×10 ⁵ (±15.890%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.039 (±4.581%)	1.598 (±22.192%)
rms radius moments (nm)	
Rn	161.9 (±1.4%)	123.2 (±9.3%)
Rw	164.7 (±1.3%)	127.1 (±9.2%)
Rz	167.9 (±1.2%)	133.6 (±8.7%)

11.8.8 Cromatograma de SEC del HA producido a las 24 h de cultivo (HA14)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 05:08:38 AM Paris, Madrid (heure d'été)
Processing Time: Friday July 31, 2015 01:49:57 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

Peak Name Peak 1 Peak 2 Peak Limits (min) 19.414 - 27.179 27.405 - 34.660 Light Scattering Model Zimm Zimm Fit Degree dn/dc (mL/g) 0.1500 0.1500 A2 (mol mL/g²) 0.000 0.000 UV Ext. Coef. (mL/(mg cm)) 0.000 0.000

Results Fitting Procedure:

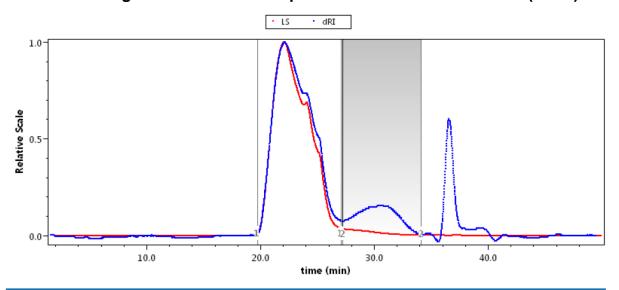
Data	Fit Model	Degree	R²	Extrapolati
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Results

Peak Results

	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	80.19	13.92
Mass Recovery (%)	80.2	13.9
Mass Fraction (%)	85.2	14.8
Molar mass moments (g/r	nol)	
Mn		8.027×10 ⁴ (±13.226%)
Мр	1.263×10 ⁶ (±1.915%)	5.329×104 (±13.315%)
M∨	n/a	n/a
Mw	1.303×10 ⁶ (±2.636%)	1.114×10 ⁵ (±10.489%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.095 (±3.825%)	1.388 (±16.880%)
rms radius moments (nm))	
Rn	135.8 (±1.3%)	71.3 (±15.4%)
Rw	142.6 (±1.2%)	75.1 (±12.7%)
Rz	149.7 (±1.2%)	83.2 (±9.8%)

11.8.9 Cromatograma de SEC del HA producido a las 24 h de cultivo (HA15)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 06:04:56 AM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 01:51:47 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

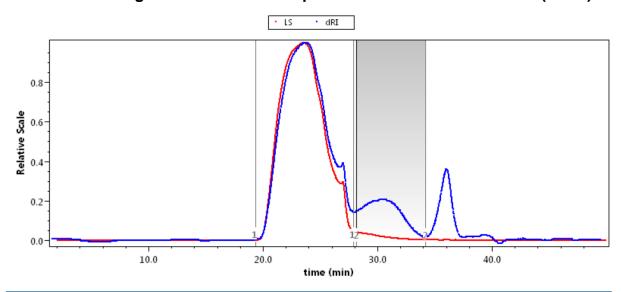
Peak Name	Peak 1	Peak 2		
Peak Limits (min)	19.754 - 27.065	27.235 - 34.093		
Light Scattering Model	Zimm	Zimm		
Fit Degree	1	1		
dn/dc (mL/g)	0.1500	0.1500		
A2 (mol mL/g²)	0.000	0.000		
UV Ext. Coef. (mL/(mg cm))	0.000	0.000		

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (μg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	54.92	9.81
Mass Recovery (%)	54.9	9.8
Mass Fraction (%)	84.8	15.2
Molar mass moments (g/r	nol)	
Mn	1.618×10 ⁶ (±2.534%)	1.181×10 ⁵ (±14.888%)
Мр	1.834×10 ⁶ (±1.824%)	7.712×10 ⁴ (±7.878%)
Mv	n/a	n/a
Mw	1.754×10 ⁶ (±2.254%)	1.610×10 ⁵ (±10.576%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.084 (±3.391%)	1.363 (±18.262%)
rms radius moments (nm)	
Rn	136.2 (±1.2%)	75.8 (±17.5%)
Rw	142.4 (±1.0%)	74.8 (±15.9%)
Rz	148.3 (±0.9%)	76.5 (±12.4%)

11.8.10 Cromatograma de SEC del HA producido a las 48 h de cultivo (HA16)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 07:01:14 AM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 01:53:18 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

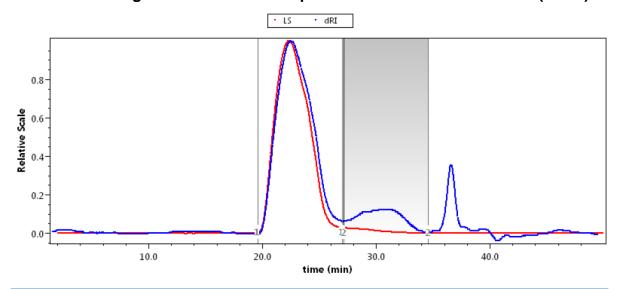
Peak Name Peak 1 Peak 2 19.291 - 27.845 28.128 - 34.190 Peak Limits (min) **Light Scattering Model** Zimm Zimm Fit Degree dn/dc (mL/g) 0.1500 0.1500 A2 (mol mL/g²) 0.000 0.000 UV Ext. Coef. (mL/(mg cm)) 0.000 0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Somare Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	106.70	18.95
Mass Recovery (%)	106.7	18.9
Mass Fraction (%)	84.9	15.1
Molar mass moments (g/n	nol)	
Mn	7.799×10 ⁵ (±2.085%)	5.403×10 ⁴ (±5.708%)
Мр	8.108×10 ⁵ (±1.335%)	4.155×10 ⁴ (±5.424%)
Mv	n/a	n/a
Mw	8.955×10 ⁵ (±1.632%)	6.379×10 ⁴ (±4.995%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.148 (±2.648%)	1.181 (±7.585%)
rms radius moments (nm)		
Rn	106.0 (±1.3%)	59.5 (±9.0%)
Rw	114.8 (±1.1%)	57.6 (±9.0%)
Rz	123.8 (±0.9%)	55.5 (±8.9%)

11.8.11 Cromatograma de SEC del HA producido a las 48 h de cultivo (HA17)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 07:57:33 AM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 01:55:07 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

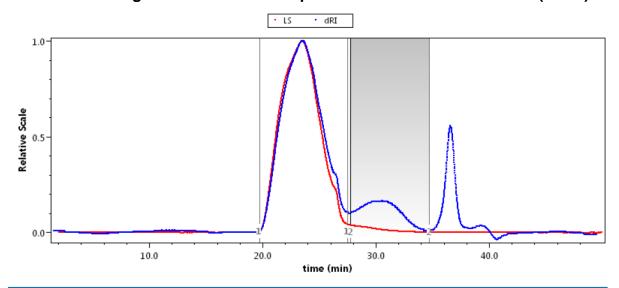
Peak Name	Peak 1	Peak 2
Peak Limits (min)	19.584 - 27.009	27.179 - 34.603
Light Scattering Model	Zimm	Zimm
Fit Degree	1	1
dn/dc (mL/g)	0.1500	0.1500
A2 (mol mL/g²)	0.000	0.000
UV Ext. Coef. (mL/(ma cm))	0.000	0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R^2	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	75.40	12.55
Mass Recovery (%)	75.4	12.6
Mass Fraction (%)	85.7	14.3
Molar mass moments (g/r	nol)	
Mn	7.835×10 ⁵ (±1.849%)	5.849×10 ⁴ (±8.147%)
Мр	9.285×10 ⁵ (±1.234%)	3.347×10 ⁴ (±4.921%)
Mv	n/a	n/a
Mw	9.476×10 ⁵ (±1.492%)	8.425×10 ⁴ (±8.462%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.209 (±2.376%)	1.440 (±11.747%)
rms radius moments (nm))	
Rn	104.5 (±1.2%)	62.6 (±12.2%)
Rw	116.4 (±0.9%)	56.6 (±15.0%)
Rz	128.4 (±0.8%)	49.6 (±19.6%)

11.8.12 Cromatograma de SEC del HA producido a las 48 h de cultivo (HA48)



Processing

Collection Time: Wednesday July 29, 2015 08:53:50 AM Paris, Madrid (heure d'été) Processing Time: Friday July 31, 2015 01:57:02 PM Paris, Madrid (heure d'été)

Peak settings:

Peak Name	Peak 1	Peak 2
Peak Limits (min)	19.692 - 27.455	27.739 - 34.708
Light Scattering Model	Zimm	Zimm
Fit Degree	1	1
dn/dc (mL/g)	0.1500	0.1500
A2 (mol mL/g²)	0.000	0.000
UV Ext. Coef. (mL/(mg cm))	0.000	0.000

Results Fitting Procedure:

Data	Fit Model	Degree	R⁴	Extrapolation
Molar Mass	None	n/a	n/a	none
Rms Radius	None	n/a	n/a	none
Mean Square Radius	None	n/a	n/a	none

Peak Results		
	Peak 1	Peak 2
Masses		
Injected Mass (µg)	100.00	100.00
Calculated Mass (µg)	99.30	17.36
Mass Recovery (%)	99.3	17.4
Mass Fraction (%)	85.1	14.9
Molar mass moments (g/n	nol)	
Mn	8.209×10 ⁵ (±1.826%)	6.924×10 ⁴ (±11.423%)
Мр	8.702×10 ⁵ (±1.337%)	5.235×10 ⁴ (±9.686%)
M∨	n/a	n/a
Mw	9.318×10 ⁵ (±1.634%)	9.107×10 ⁴ (±16.173%)
Polydispersity		
Mw/Mn	1.135 (±2.450%)	1.315 (±19.800%)
rms radius moments (nm))	
Rn	106.6 (±1.1%)	53.5 (±20.6%)
Rw	115.1 (±1.0%)	55.0 (±20.0%)
Rz	123.9 (±0.9%)	64.3 (±20.7%)

11.9 Análisis estadístico

11.9.1 Efecto del tiempo en la concentración de glucosa en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

Cultivo sumergido con CGI de 2.5 g/L

Response Glc_CGI_2_5

Analysis of Variance Table						
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alpha	a=0.05)	-			
A: Tiempo	8	7.544116	0.9430146	1448.07	0.000000*	1.000000
S(A)	9	5.860978E-03	6.512198E-04	ļ		
Total (Adjusted)	17	7.549977				
Total	18					

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Glc_CGI_2_5

Term A: Tiempo

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=9 MSE=6.512198E-04 Critical Value=5.5947

Group	Count	Mean	Different From Groups
12	2	0.3005291	6, 4, 2
10	2	0.3026455	6, 4, 2
18	2	0.3068783	6, 4, 2
8	2	0.3121693	6, 4, 2
48	2	0.3248677	6, 4, 2
24	2	0.3269841	6, 4, 2
6	2	0.955556	12, 10, 18, 8, 48, 24, 4, 2
4	2	1.796825	12, 10, 18, 8, 48, 24, 6, 2
2	2	1.969312	12, 10, 18, 8, 48, 24, 6, 4

Notes:

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

Cultivo sumergido con CGI de 5 g/L

Analysis of Variance Table				
Source	Sum of	Mean	Prob	Power

Term	DF (Alpha	Squares =0.05)	Square	F-Ratio	Level			
A: Tiempo	8	22.95795	2.869743	280.67	0.000000*	1.000000		
S(A)	9	9.202181E-02	1.022465E-02					
Total (Adjusted)	17	23.04997						
Total	18							
* Term significant at all	* Term significant at alpha = 0.05							

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Glc_CGI_5 Term A: Tiempo

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=9 MSE=1.022465E-02 Critical Value=5.5947

Group	Count	Mean	Different From Groups
24	2	1.899471	8, 6, 4, 2
18	2	1.936508	8, 6, 4, 2
12	2	2.010582	6, 4, 2
48	2	2.012346	6, 4, 2
10	2	2.07231	6, 4, 2
8	2	2.359788	24, 18, 6, 4, 2
6	2	3.481482	24, 18, 12, 48, 10, 8, 4, 2
4	2	4.679012	24, 18, 12, 48, 10, 8, 6
2	2	4.790123	24, 18, 12, 48, 10, 8, 6

Notes

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

Cultivo sumergido con CGI de 10 g/L

e Table	Sum of	Mean		Prob	Power
DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
(Alph	na=0.05)	-			
8	19.61457	2.451821	77.77	0.000000*	1.000000
9	0.2837546	3.152829E-02			
17	19.89832				
18					
	(Alph 8 9 17	Sum of DF Squares (Alpha=0.05) 8 19.61457 9 0.2837546 17 19.89832	Sum of DFMean Squares(Alpha=0.05)Square819.614572.45182190.28375463.152829E-021719.89832	Sum of DFMean SquaresSquareF-Ratio(Alpha=0.05)819.614572.45182177.7790.28375463.152829E-021719.89832	Sum of DFMean SquaresProb Square(Alpha=0.05)SquareF-RatioLevel819.614572.45182177.770.000000*90.28375463.152829E-021719.89832

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Glc_CGI_10

Term A: Tiempo

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=9 MSE=3.152829E-02 Critical Value=5.5947

Different From

Group	Count	Mean	Groups
10	2	5.566138	6, 4, 2
12	2	5.626102	6, 4, 2
48	2	5.957672	4, 2
24	2	6.05291	4, 2
8	2	6.074074	4, 2
18	2	6.074074	4, 2
6	2	6.469136	10, 12, 4, 2
4	2	8.22222	10, 12, 48, 24, 8, 18, 6
2	2	8.585538	10, 12, 48, 24, 8, 18, 6

Notes:

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

11.9.2 Efecto de la CGI en el consumo de glucosa en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

Response Consumo_glc_global_estático

Analysis of V	ariance Table
---------------	---------------

Source Term	DF	Sum of Squares =0.05)	Mean Square	F-Ratio	Prob Level	Power
A: CGI_C S(A) Total (Adjusted) Total	2 3 5 6	2.220899 9.045411E-03 2.229944	1.11045 3.015137E-03	368.29	0.000258*	1.000000

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Consumo_glc_global_estático

Term A: CGI_C

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=3 MSE=3.015137E-03 Critical Value=5.9080

			Different From
Group	Count	Mean	Groups
Glc 2.5	2	1.884656	Glc 5, Glc 10
Glc 5	2	2.922399	Glc 2.5, Glc 10
Glc 10	2	3.329806	Glc 2.5, Glc 5

Notes:

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

11.9.3 Efecto del tiempo en la concentración de proteína soluble en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

Cultivo sumergido con CGI de 2.5 g/L

Response Proteína_soluble_CGI_2_5

Analysis of Variance Table								
Source		Sum of	Mean		Prob	Power		
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level			
	(Alph	a=0.05)						
A: Tiempo_C	8	7.594382	0.9492978	2.29	0.119805	0.533811		
S(A)	9	3.736032	0.4151146					
Total (Adjusted)	17	11.33041						
Total	18							
* Term significant at al	pha = 0	.05						

Cultivo sumergido con CGI de 5 g/L

Response Prot_soluble_CGI_5

Analysis of Variand	e Table					
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alph	na=0.05)	•			
A: Tiempo_C	8	3.58595	0.4482437	2.02	0.158348	0.475767
S(A)	9	2.001239	0.2223598			
Total (Adjusted)	17	5.587189				
Total	18					
* Term significant at	alpha = 0	0.05				

Cultivo sumergido con CGI de 10 g/L

Analysis of Variance Report

Response Prot_soluble_CGI_10

Analysis of Variance Table Source Sum of Mean Prob **Power Term** Squares Square F-Ratio Level (Alpha=0.05) A: Tiempo_C 7.33636 0.9170451 2.90 0.066732 0.651286 8 S(A) 9 2.845337 0.3161486 Total (Adjusted) 17 10.1817 Total 18 * Term significant at alpha = 0.05

11.9.4 Efecto de la CGI en el rendimiento de producto a partir de sustrato (YHA/S) y la productividad volumétrica (PHA), en el cultivo sumergido estático de *S. equi* subsp. zooepidemicus

Rendimiento YHA/S

Response Y_HA_S_48_h

Analysis of Variance	Γable					
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alpha	=0.05)	-			
A: CGI	2	7.3057E-04	3.65285E-04	0.79	0.531706	0.102179
S(A)	3	1.395145E-03	4.650483E-04			
Total (Adjusted)	5	2.125715E-03				
Total	6					
		_				

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Productividad volumétrica

Response PHA_48h

Analysis of Variance Table						
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alph	a=0.05)	-			
A: CGI	2	2.173333E-06	1.086667E-06	0.81	0.524306	0.103631
S(A)	3	4.04E-06	1.346667E-06			
Total (Adjusted)	5	6.213333E-06				
Total	6					

^{*} Term significant at alpha = 0.05

11.9.5 Efecto del tiempo en la concentración de glucosa en el cultivo sumergido agitado de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

Cultivo sumergido con agitación de 0 rpm

Ver ANOVA correspondiente al cultivo del sistema estático con CGI de 5 g/L (Anexo 11.8.1)

Cultivo sumergido con agitación de 200 rpm

Response: Glc_200_rpm

Analysis of Variance Table								
Source		Sum of	Mean		Prob	Power		
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level			
	(Alpha	a=0.05)	-					
A: Tiempo_r	7	19.26466	2.752094	482.49	0.000000*	1.000000		
S(A)	8	4.563142E-02	5.703927E-03					
Total (Adjusted)	15	19.31029						
Total	16							

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Glc_200_rpm Term A: Tiempo_r

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=8 MSE=5.703927E-03 Critical Value=5.5962

			Different From
Group	Count	Mean	Groups
12	2	1.301587	6, 4, 2
10	2	1.319224	6, 4, 2
24	2	1.328042	6, 4, 2
48	2	1.40388	6, 4, 2
8	2	1.492064	6, 4, 2
6	2	1.867725	12, 10, 24, 48, 8, 4, 2
4	2	3.266314	12, 10, 24, 48, 8, 6, 2
2	2	4.453263	12, 10, 24, 48, 8, 6, 4

Notes

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

Cultivo sumergido con agitación de 400 rpm

Response Glc_400_rpm

Analysis of Variance Table Mean Source Sum of Prob **Power** Term DF Square Squares F-Ratio Level (Alpha=0.05) A: Tiempo_r 7 24.36055 3.480079 1077.07 0.000000* 1.000000 2.584847E-02 3.231059E-03 S(A) 8 Total (Adjusted) 15 24.3864 Total 16 * Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Glc_400_rpm Term A: Tiempo_r

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=8 MSE=3.231059E-03 Critical Value=5.5962

			Different From
Group	Count	Mean	Groups
24	2	1.068783	10, 8, 6, 4, 2
48	2	1.126984	10, 8, 6, 4, 2
12	2	1.194004	8, 6, 4, 2
10	2	1.37037	24, 48, 8, 6, 4, 2
8	2	1.753086	24, 48, 12, 10, 6, 4, 2
6	2	2.955908	24, 48, 12, 10, 8, 4, 2
4	2	4.021164	24, 48, 12, 10, 8, 6
2	2	4.190476	24, 48, 12, 10, 8, 6

Notes:

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

Cultivo sumergido con agitación de 600 rpm

Analysis of Variance	Table					
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alpha	a=0.05)				
A: Tiempo_r	7	33.63475	4.804965	530.48	0.000000*	1.000000
S(A)	8	7.246282E-02	9.057852E-03			
Total (Adjusted)	15	33.70722				
Total	16					

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Glc_600_rpm

Term A: Tiempo_r

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=8 MSE=9.057852E-03 Critical Value=5.5962

Group	Count	Mean	Different From Groups
24	2	0.8500882	10, 8, 6, 4, 2
48	2	0.8518519	10, 8, 6, 4, 2
12	2	1.097002	8, 6, 4, 2
10	2	1.340388	24, 48, 8, 6, 4, 2
8	2	1.895944	24, 48, 12, 10, 6, 4, 2
6	2	4.079365	24, 48, 12, 10, 8
4	2	4.112875	24, 48, 12, 10, 8
2	2	4.206349	24, 48, 12, 10, 8

Notes:

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

11.9.6 Efecto de la agitación en el consumo de glucosa en el cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

Response Consumo_Glc_global_agitado

Analysis of Variance Table

Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alpha	=0.05)	-			
A: Agitacion_r	3	0.2072482	6.908271E-02	36.11	0.002349*	0.999262
S(A)	4	7.651895E-03	1.912974E-03			
Total (Adjusted)	7	0.2149				
Total	8					

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Consumo_Glc_global_agitado

Term A: Agitacion_r

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=4 MSE=1.912974E-03 Critical Value=5.7569

Group	Count	Mean	Different From Groups
0 rpm	2	2.922399	400 rpm, 200 rpm, 600 rpm
400 rpm	2	3.195767	0 rpm
200 rpm	2	3.209877	0 rpm
600 rpm	2	3.37037	0 rpm

Notes:

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

11.9.7 Efecto del tiempo en la concentración de proteína soluble en el cultivo sumergido agitado de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*.

0 rpm

Ver el ANOVA correspondiente del sistema estático con CGI 5 g/L, en el anexo 11.6.3.

200 rpm

Response Proteína_200rpm

Analysis of Variance	Table					
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alph	a=0.05)	-			
A: Tiempo_r	7	1.748359	0.2497656	3.20	0.062577	0.644260
S(A)	8	0.624082	7.801025E-02			
Total (Adjusted)	15	2.372441				
Total	16					
* Term significant at a	lpha = 0	.05				

400 rpm

Response Proteína_400rpm

Analysis of Variance	Table					
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alph	a=0.05)	-			
A: Tiempo_r	7	1.699945	0.2428493	2.47	0.114333	0.519091
S(A)	8	0.7866668	9.833334E-02			
Total (Adjusted)	15	2.486612				
Total	16					
* Term significant at a	pha = 0	.05				

600 rpm

Response Proteína_600rpm

Analysis of Varianc	e Table					
Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alph	a=0.05)	•			
A: Tiempo_r	7	9.178244	1.311178	2.16	0.151372	0.459583
S(A)	8	4.85712	0.60714			
Total (Adjusted)	15	14.03536				
Total	16					

^{*} Term significant at alpha = 0.05

11.9.8 Efecto de la agitación en el rendimiento de producto a partir del sustrado (YHA/S) y productividad volumétrica de HA (PHA), en el cultivo sumergido de *S. equi* subsp. *zooepidemicus*

Rendimiento YHA/S

Response Y_HA_S

Analysis of Variance Table

Source		Sum of	Mean		Prob	Power
Term	DF	Squares	Square	F-Ratio	Level	
	(Alpha	a=0.05)	•			
A: Agitacion	3	1.339558E-02	4.465194E-03	19.06	0.007836*	0.967559
S	4	9.369474E-04	2.342369E-04			
Total (Adjusted)	7	1.433253E-02				
Total	8					
· · · · · · · · · · · · · · · · · ·		^=				

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: Y_HA_S Term A: Agitacion

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=4 MSE=2.342369E-04 Critical Value=5.7569

			Different From
Group	Count	Mean	Groups
0 rpm	2	6.916946E-02	400 rpm, 600 rpm
200 rpm	2	9.276757E-02	400 rpm, 600 rpm
400 rpm	2	0.1562514	0 rpm, 200 rpm
600 rpm	2	0.1654038	0 rpm, 200 rpm

Notes

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.

Productividad volumétrica (PHA)

Response PHA

Analysis of Variance Table

Source Term	DF	Sum of Squares	Mean Square	F-Ratio	Prob Level	Power
	(Alpha	a=0.05)				
A: Agitacion	3	6.157533E-05	2.052511E-05	17.27	0.009400*	0.952636
S	4	4.754335E-06	1.188584E-06			
Total (Adjusted)	7	6.632967E-05				
Total	8					

^{*} Term significant at alpha = 0.05

Tukey-Kramer Multiple-Comparison Test

Response: PHA Term A: Agitacion

Alpha=0.050 Error Term=S(A) DF=4 MSE=1.188584E-06 Critical Value=5.7569

Group	Count	Mean	Different From Groups
0 rpm	2	5.585735E-03	400 rpm, 600 rpm
200 rpm	2	6.894873E-03	600 rpm
400 rpm	2	1.114181E-02	0 rpm
600 rpm	2	1.218138E-02	0 rpm, 200 rpm

Notes:

This report provides multiple comparison tests for all pairwise differences between the means.